

NF VALIDATION 16140

VALIDATION AFNOR CERTIFICATION DE LA METHODE

VIDAS *Listeria* Duo (LDUO) (Réf. 30225)

BIO 12/18-03/06

pour la détection de *Listeria* spp et de *Listeria monocytogenes*

Protocole pour les produits d'alimentation humaine et les échantillons d'environnement

RAPPORT DE SYNTHÈSE – DECEMBRE 2014 – V1

Laboratoire expert :

ISHA
25 avenue de la République
91300 MASSY
FRANCE

Fabricant :

bioMérieux
Chemin de l'Orme
69280 MARCY L'ETOILE
FRANCE

Ce rapport d'analyse ne concerne que les objets soumis aux analyses. Sa reproduction n'est autorisée que sous forme de fac-similé photographique intégral. Il comporte 18 pages (hors annexes).

Table des matières

1.	Introduction.....	3
1.1.	Date(s) et historique de validation.....	3
1.2.	Principe et protocole de la méthode alternative.....	3
1.2.1.	Principe de la méthode.....	3
1.2.2.	Protocole.....	4
1.3.	Méthode de référence à laquelle la méthode alternative a été comparée.....	5
1.4.	Domaine d'application.....	5
2.	Etude comparative des méthodes.....	6
2.1.	Exactitude, spécificité et sensibilité relatives.....	6
2.1.1.	Nombre et nature des échantillons.....	6
2.1.2.	Contamination artificielle.....	7
2.1.3.	Résultats des essais.....	7
2.1.4.	Calcul de l'exactitude relative, de la spécificité relative et de la sensibilité relative.....	7
2.1.5.	Analyse des discordances.....	9
2.1.6.	Commentaires sur les essais réalisés après 72 h.....	10
2.2.	Niveau de détection relatif.....	10
2.2.1.	Matrices utilisées.....	10
2.2.2.	Protocole de contamination.....	10
2.2.3.	Résultats.....	10
2.2.4.	Conclusion.....	11
2.3.	Sélectivité.....	11
2.3.1.	Protocoles d'essai.....	11
2.3.2.	Résultats et conclusion.....	11
2.4.	Praticabilité.....	11
3.	Etude interlaboratoires.....	14
3.1.	Organisation de l'étude.....	14
3.1.1.	Mise en œuvre.....	14
3.2.	Taux de contamination.....	14
3.3.	Résultats des analyses.....	14
3.4.	Calculs.....	16
3.4.1.	Interprétation.....	17
4.	Conclusions.....	18

Annexes

Annexe 1 : protocoles de la méthode alternative et de la méthode de référence

Annexe 2 : résultats de l'exactitude relative

Annexe 3 : résultats du niveau de détection relatif

Annexe 4 : résultats de la sélectivité

Annexe 5 : résultats du laboratoire expert

Annexe 6 : résultats des laboratoires collaborateurs

Annexe 7 : calcul du degré d'accord

Annexe 8 : calcul de la concordance

1. Introduction

1.1. Date(s) et historique de validation

La méthode VIDAS *Listeria* Duo a été validée par AFNOR Certification sous la marque NF Validation 16140 en mars 2006 sous le numéro d'attestation 12/18 – 03/06.

La méthode a été reconduite en décembre 2009 et en janvier 2014.

Les résultats reportés dans le présent rapport ont été produits lors des essais de validation conduits par EUROFINIS IPL Nord dans le cadre de la marque NF VALIDATION, conformément aux exigences en vigueur.

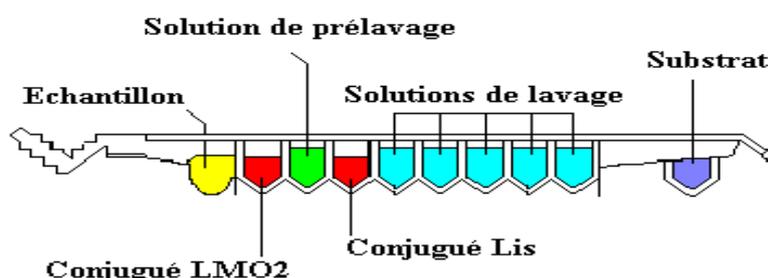
1.2. Principe et protocole de la méthode alternative

1.2.1. Principe de la méthode

Le test VIDAS *Listeria* Duo est un test immuno-enzymatique, permettant la détection d'antigène *Listeria monocytogenes* et *Listeria* par la méthode ELFA (Enzyme Linked Fluorescent Assay) grâce au système automatisé VIDAS.

Chaque test se décompose en deux éléments :

- Le cône à usage unique servant à la fois de phase solide et de système de pipetage pour le test. L'intérieur du cône est recouvert d'anticorps anti-*Listeria monocytogenes* et d'anticorps anti-*Listeria* adsorbés sur sa surface.
- La cartouche (cf schéma ci-dessous) qui contient tous les réactifs prêts à l'emploi nécessaires pour le test : solution de lavage, anticorps anti-*Listeria monocytogenes* et anticorps anti-*Listeria* conjugués à la phosphatase alcaline et substrat.



Toutes les étapes sont réalisées automatiquement par le module analytique VIDAS. Un aliquot du bouillon d'enrichissement est placé dans la cartouche et subit un cycle d'aspiration/refoulement dont la durée a été spécifiquement calculée pour activer la réaction.

Ainsi, le système effectue deux étapes de révélation et deux lectures :

- la première lecture apporte une réponse pour *Listeria monocytogenes* (DLMO),
- la seconde lecture apporte une réponse pour *Listeria* spp (DLIS).

L'intensité de la fluorescence est mesurée par le système optique du VIDAS à 450 nm et exprimée en valeur de fluorescence relative (RFV), interprétée par le système VIDAS de la manière suivante :

Les valeurs de tests calculées selon la formule suivante sont ensuite comparées à des valeurs seuils définies pour *Listeria monocytogenes* et pour *Listeria* spp.

$$\text{Valeur du test (TV)} = \text{RFV échantillon} / \text{RFV standard.}$$

Réponse *Listeria monocytogenes* (DLMO)

- Si $TV < 0,05$, \Rightarrow le test est négatif et
 Si $TV \geq 0,05$, \Rightarrow le test est positif

Réponse *Listeria* (DLIS)

Si TV < 0,1, ⇨ le test est négatif et
 Si TV ≥ 0,1, ⇨ le test est positif

Il est à noter cependant que si le test est positif en *Listeria monocytogenes*, le système ne fournit pas de valeur de test pour *Listeria spp.*, mais fournit seulement une réponse positive par défaut.

Les différents types de réponses sont repris dans le tableau suivant :

	DLMO	Valeur de test DLMO	DLIS	Valeur de test DLIS	Réponse (sous réserve de confirmation)
Cas 1	+	Disponible	+ par défaut	Non disponible	Présence de <i>Listeria monocytogenes</i> et <u>par défaut</u> , présence de <i>Listeria spp.</i>
Cas 2	-	Disponible	+	Disponible	Absence de <i>Listeria monocytogenes</i> & Présence de <i>Listeria spp.</i> autre que <i>Listeria monocytogenes</i>
Cas 3	-	Disponible	-	Disponible	Absence de <i>Listeria spp.</i> , y compris Absence de <i>Listeria monocytogenes</i>

1.2.2. Protocole

Le protocole est le suivant :

- un enrichissement en bouillon LX, incubé 22 à 26 heures à 30°C +/- 1°C,
- un repiquage en bouillon LX (0,1ml dans 6ml), incubé 22 à 26 heures à 30°C +/- 1°C

NB : dans l'étude comparative des méthodes, les temps minimum d'incubation (soit 22 heures) ont été respectés.

Le schéma de la méthode figure en annexe 1.

Le test VIDAS LDUO est ensuite réalisé à partir d'un aliquote de LX chauffé 5 ± 1 minutes à 95-100°C. Deux réponses sont apportées : présence ou absence de *Listeria monocytogenes* (DLMO) et présence ou absence de *Listeria spp.* (DLIS).

Les échantillons positifs à l'issue du test VIDAS LDUO sont confirmés par isolement du tube de bouillon LX non chauffé sur gélose sélective permettant le développement de toutes les espèces de *Listeria* (Palcam ou Oxford ou gélose chromogène).

Les colonies caractéristiques de *Listeria spp.* sont ensuite confirmées par les tests biochimiques classiques.

De plus,

- dans le cas d'une réponse positive en *Listeria monocytogenes*, une option 2 de confirmation est proposée: en cas de présence de colonies caractéristiques sur gélose chromogène, le résultat VIDAS DLMO pour *Listeria monocytogenes* est considéré comme confirmé,
- dans le cas d'une réponse positive en *Listeria spp.* autre que *Listeria monocytogenes*, les colonies caractéristiques de *Listeria* sont confirmées par les tests biochimiques classiques ou par réalisation d'une galerie API sans purification préalable si la colonie est suffisamment isolée.

Les tubes de bouillons LX ont été conservés pendant 72h à 2-8°C puis à nouveau testés en VIDAS et confirmés si le test VIDAS LDUO est positif, afin de documenter l'impact d'une conservation des bouillons jusqu'à 72 heures à 2°C – 8°C.

1.3. Méthode de référence à laquelle la méthode alternative a été comparée

La norme EN ISO 11290-1/A1 (2004), méthode horizontale pour la recherche et le dénombrement de *Listeria monocytogenes* a été utilisée. Le protocole de la méthode est présenté en annexe 1.

1.4. Domaine d'application

Le domaine d'application est le suivant : tous produits d'alimentation humaine et échantillons d'environnement (hors environnement d'élevage).

2. Etude comparative des méthodes

2.1. Exactitude, spécificité et sensibilité relatives

L'objectif de cette étude était de comparer les deux méthodes la méthode de référence EN ISO 11290-1 et la méthode VIDAS LDUO, sur des échantillons naturellement contaminés et non contaminés en *Listeria monocytogenes* et en autres *Listeria*.

2.1.1. Nombre et nature des échantillons

Selon la norme EN ISO 16140, un minimum de 60 produits par catégorie doit être analysé, avec environ 50% de produits positifs (au moins 30 résultats) et 50% de produits négatifs.

Suite aux décisions du Bureau technique de validation des méthodes alternatives, il a été testé par catégorie de produits :

- un minimum de 30 échantillons négatifs,

- un minimum de 45 échantillons positifs : dont au moins 30 échantillons contenant *Listeria monocytogenes* seule ou en mélange avec d'autres *Listeria*, dont au moins 15 échantillons contenant uniquement *Listeria* autre que *L. monocytogenes*.

Chaque catégorie a été divisée en différents types et les produits se répartissent de la manière suivante :

Catégories	Types	Positifs*			Négatifs	Total
		<i>Listeria monocytogenes</i> seule	<i>Listeria monocytogenes</i> en mélange	<i>Listeria</i> autre que <i>monocytogenes</i>		
Produits carnés	crus	6	8	6	10	30
	assaisonnés, prêts à cuire	3	13	3	6	25
	charcuteries, plats cuisinés, ...	9	9	15	19	52
	Total	18	30	24	35	107
Produits laitiers	fromages au lait de vache	12	1	9	15	37
	fromages au lait de chèvre ou de brebis	3	6	1	11	21
	desserts, poudres de lait	3	3	9	8	23
	laits crus	0	3	4	8	15
Total	18	13	23	42	96	
Produits de la pêche	filets de poissons frais et crustacés	10	3	11	18	42
	poissons fumés	16	0	2	7	25
	plats cuisinés à base de poisson	5	0	3	6	14
	Total	31	3	16	31	81
Produits végétaux	surgelés	8	6	3	7	24
	frais ou 4ème gamme	9	0	6	25	40
	assaisonnés	8	4	9	5	26
	Total	25	10	18	37	90
Environnement	eaux diverses	3	2	4	17	26
	prélèvements de surface	8	6	14	18	46
	résidus	10	2	2	6	20
	Total	21	10	20	41	92
TOTAL		113	65	102	186	466

Tableau 1 : nombre et nature des échantillons testés (* : positifs par l'une ou l'autre des méthodes)

2.1.2. Contamination artificielle

Des contaminations artificielles ont été réalisées à l'aide de souches stressées selon les exigences de la norme EN ISO 16140 et du bureau technique de validation AFNOR.

108 échantillons ont donné un résultat positif : 80 pour la réponse DLIS et 28 pour la réponse DLMO. Au total, sur 280 résultats positifs en *Listeria spp.*, 61% ont été obtenus à partir de produits naturellement contaminés.

Pour les échantillons contenant *Listeria monocytogenes*, 84% (150 résultats sur 178) ont été obtenus à partir de produits naturellement contaminés.

2.1.3. Résultats des essais

Les analyses ont été réalisées en simple par les deux méthodes.

Les différents échantillons analysés et leurs résultats sont détaillés en annexe 2.

Les résultats obtenus pour les 466 échantillons analysés se répartissent de la manière suivante :

<u>Réponse <i>Listeria spp.</i></u>	Méthode de référence positive (R+)	Méthode de référence négative (R-)
Méthode alternative positive (A+)	Accord positif (A+/R+) PA = 239	Déviations positives (R-/A+) PD = 26
Méthode alternative négative (A-)	Déviations négatives (A-/R+) ND = 15*	Accord négatif (A-/R-) NA = 186*

Légende : A+ = positifs confirmés
 A- = négatifs immédiats **et** négatifs après confirmation quand présomptifs positifs
 * dont aucun résultat positif VIDAS LDUO non confirmé.

<u>Réponse <i>Listeria monocytogenes</i></u>	Méthode de référence positive (R+)	Méthode de référence négative (R-)
Méthode alternative positive (A+)	Accord positif (A+/R+) PA = 155	Déviations positives (R-/A+) PD = 16
Méthode alternative négative (A-)	Déviations négatives (A-/R+) ND = 7*	Accord négatif (A-/R-) a) NA = 288*(1) b) NA = 186*(1)

Légende : A+ = positifs confirmés
 A- = négatifs immédiats et négatifs après confirmation quand présomptifs positifs
 * dont aucun résultat VIDAS LDUO positif (DLMO positif) non confirmé
 (1) dont 1 échantillon négatif en méthode de référence, négatif dans la réponse DLMO du test et positif dans la réponse DLIS avec isolement de *L. monocytogenes* à partir du bouillon LX

a) si l'on considère les échantillons contenant des *Listeria* autres que *L. monocytogenes* comme des résultats négatifs
 b) si l'on élimine tous les résultats provenant d'échantillons ne contenant que des *Listeria* autres que *L. monocytogenes* afin de rétablir l'équilibre entre les échantillons positifs et les échantillons négatifs

2.1.4. Calcul de l'exactitude relative, de la spécificité relative et de la sensibilité relative

L'ensemble de ces résultats permet de calculer l'exactitude relative, la sensibilité relative et la spécificité relative pour chacune des catégories et pour l'ensemble des catégories, selon les formules de la norme EN ISO 16140 (tableaux 2 et 3).

Réponse *Listeria spp*

Catégorie	PA	NA	ND	PD	N	AC (%)	N+	SE (%)	N-	SP (%)
Produits carnés	65	35	3	4	107	93,5	68	95,6	39	89,7
Produits laitiers	43	42	3	8	96	88,5	46	93,5	50	84,0
Produits de la pêche	39	31	4	7	81	86,4	43	90,7	38	81,6
Produits végétaux	48	37	4	1	90	94,4	52	92,3	38	97,4
Echantillons de l'environnement	44	41	1	6	92	92,4	45	97,8	47	87,2
TOTAL	239	186	15	26	466	91,2	254	94,1	212	87,7

Tableau 2 : exactitude relative, sensibilité relative et spécificité relative de la méthode alternative pour *Listeria spp*

Réponse *Listeria monocytogenes*

Afin de ne pas introduire de biais, les résultats provenant d'échantillons ne contenant que des *Listeria* autres que *L. monocytogenes* n'ont pas été considérés dans les calculs suivants.

Catégorie	PA	NA	ND	PD	N	AC (%)	N+	SE (%)	N-	SP (%)
Produits carnés	41	35	2	5	83	91,6	43	95,3	40	87,5
Produits laitiers	27	42	0	4	73	94,5	27	100	46	91,3
Produits de la pêche	29	31	0	5	65	92,3	29	100	36	86,1
Produits végétaux	30	37	3	1	71	92,3	33	90,9	38	97,4
Echantillons de l'environnement	28	41	2	1	72	95,8	30	93,3	42	97,4
TOTAL	155	186	7	16	364	93,7	162	95,7	202	92,1

Tableau 3 : exactitude relative, sensibilité relative et spécificité relative de la méthode alternative pour *Listeria monocytogenes*

Pour la méthode alternative, les valeurs en pourcentage calculées pour les trois critères suivants selon la norme EN ISO 16140 sont :

Paramètre	Réponse <i>Listeria spp</i>	Réponse <i>Listeria monocytogenes</i>
Exactitude relative : AC	91,2	93,7
Spécificité relative : SP	87,7	92,1
Sensibilité relative : SE	94,1	95,7

Tableau 4 : Valeurs de l'exactitude relative, de la sensibilité relative et de la spécificité relative de la méthode alternative pour les deux réponses de la méthode

La sensibilité des deux méthodes a été recalculée en tenant compte de l'ensemble des positifs confirmés (incluant les positifs supplémentaires de la méthode alternative).

Catégorie	Méthode alternative : (PA + PD) / (PA + PD + ND) =	Méthode de référence : (PA + ND) / (PA + PD + ND) =
Réponse <i>Listeria spp</i>	94,6 %	90,7 %
Réponse <i>Listeria monocytogenes</i>	96,1 %	91,0 %

Tableau 5 : Sensibilité relative recalculée

A noter que la spécificité du test VIDAS LDUO est également de 100% dans cette étude puisque tous les résultats trouvés positifs après VIDAS LDUO ont pu être confirmés.

2.1.5. Analyse des discordances

2.1.5.1. Test statistique

Le nombre d'échantillons discordants entre la méthode de référence et la méthode alternative est variable en fonction de la réponse considérée.

Selon l'annexe F de la norme EN ISO 16140, le nombre de discordants pour lequel un test statistique doit être réalisé afin de comparer les deux méthodes est de 6.

Ce test statistique est donc mis en œuvre puisque le nombre de résultats discordants est de :

- 41 pour la réponse *Listeria spp.* sur 280 échantillons positifs,
- 23 pour la réponse *Listeria monocytogenes* sur 179 échantillons contenant des *Listeria monocytogenes*

Lorsque le nombre de résultats discordants est supérieur à 22, il s'agit d'utiliser le test de McNemar avec la distribution du χ^2 pour un degré de liberté. Il s'agit de déterminer $d = |PD - ND|$ et de comparer d à une valeur de d minimale définie pour chaque nombre de résultats discordants.

	Nombre de résultats discordants	d minimal	d	Conclusion
Réponse <i>Listeria spp.</i>	41	13	26 – 15 = 11	Equivalence
Réponse <i>Listeria monocytogenes</i>	23	10	16 – 7 = 9	Equivalence

Les deux méthodes sont considérées comme équivalentes puisque $d < d$ minimal (Annexe F).

2.1.5.2. Analyse des résultats discordants

Le tableau ci-dessous liste les échantillons discordants, dans l'ordre de l'annexe B, en fonction de la réponse considérée :

		Réponse <i>Listeria spp.</i>		Réponse <i>Listeria monocytogenes</i>	
		Positif supplémentaire	Faux négatif	Positif supplémentaire	Faux négatif
Produits carnés	PC1	D7,		D7, V14	M4
	PC2	C19, T15,		C19,	
	PC3	V10	I10, L1, L3	V10, V11,	I10
Produits laitiers	PL1	C7, D14, H1,	L6,	B16, C10,	/
	PL2	C10,		J14, J17	
	PL3	J19, J28,	C13, J20		
	PL4	J14, J17			
Produit de la pêche	PP1	G8, I36, S5,	M13, M15, M16,	G8, I36, U1	/
	PP2	I37, I39, U3,	S3	I37, I39	
	PP3	Q10			
Produits végétaux	PV1			C1	
	PV2	L125-1	Q18, S8, S12,		Q18, S8, S12
	PV3		U9		
Environnement	EN1	H7, H13,			
	EN2	G27, J1,	O3		O3,
	EN3	I32, I43		I43	O14

Tableau 6 : synthèse des résultats discordants

2.1.6. Commentaires sur les essais réalisés après 72 h

Les bouillons LX ont été testés par le test VIDAS LDUO, immédiatement après incubation, puis ces bouillons LX ont été conservés pendant 3 jours à 2 – 8°C et un nouveau test a été réalisé, ainsi que des isolements du bouillon LX sur géloses sélectives et des confirmations.

Certaines discordances entre les deux résultats sont apparues lors de la réalisation du test VIDAS LDUO réalisé à partir du bouillon LX conservé 72 heures à 2 – 8°C :

- sept résultats sont discordants entre la réponse spécifique du test et le résultat d'identification (positifs en réponse DLMO du test avec identification d'une *Listeria* autre que *L. monocytogenes*)
- trois résultats sont apparus « faux positifs » en réponse DLIS du test.
- un échantillon faux négatif en test direct est devenu concordant après conservation du bouillon LX à 2 – 8°C

Les résultats des tests VIDAS LDUO réalisés sur les bouillons LX conservés 72 heures à 2 - 8°C sont donc globalement équivalents à ceux obtenus lorsque le test VIDAS LDUO est réalisé directement après incubation.

2.2. Niveau de détection relatif

L'objectif est de déterminer le niveau de contamination pour lequel moins de 50% des réponses obtenues sont positives et celui pour lequel plus de 50% des réponses obtenues sont positives.

2.2.1. Matrices utilisées

Différents couples « matrice alimentaire - souche » ont été étudiés en parallèle avec la méthode de référence et la méthode VIDAS LDUO, pour les catégories concernées :

- rillettes	avec <i>L. welshimeri</i>
- lait cru,	avec <i>L.monocytogenes</i> 1/2b et avec <i>L. innocua</i>
- chou rouge	avec <i>L.monocytogenes</i> 4b
- saumon fumé	avec <i>L.monocytogenes</i> 1/2a
- eau de process	avec <i>L.monocytogenes</i> 1/2c

Le niveau de flore totale de la matrice a été déterminé et figure dans les tableaux de résultats de l'annexe 3.

2.2.2. Protocole de contamination

Au moins quatre niveaux de contamination, y compris le contrôle négatif, ont été réalisés. Chacune des combinaisons « matrice – souche – niveau » a été répliquée 6 fois avec la méthode alternative VIDAS LDUO et la méthode de référence EN ISO 11290-1/A1.

La première étape d'enrichissement n'étant pas commune, douze sachets de 25 grammes d'aliments ont été réalisés, dilués au 1/10^{ème} dans le diluant approprié, puis contaminés individuellement à l'aide d'une suspension bactérienne au titre déterminé. Chaque suspension contaminante a été dénombrée sur 30 boîtes de gélose TSAYE.

2.2.3. Résultats

Les tableaux de résultats détaillés figurent en annexe 3. Les niveaux de détection, calculés selon la méthode de Spearman-Kärber (LOD50), obtenus pour chaque combinaison « matrice – souche » sont les suivants :

Matrice	Souche	Niveau de détection relatif (cellules / 25 g ou 25 mL)	
		Méthode de référence	Méthode alternative
Lait cru	<i>L.monocytogenes</i> 1/2b	0,5 [0,3 – 0,8]	0,6 [0,4 – 0,9]
	<i>L.innocua</i>	1,3 [0,7 – 2,5]	1,4 [0,8 – 2,5]
Rillettes	<i>L.welshimeri</i>	0,5 [0,3 – 0,9]	0,6 [0,3 – 1,0]
Saumon fumé	<i>L.monocytogenes</i> 1/2a	0,7 [0,4 – 1,3]	0,7 [0,4 – 1,3]
Chou rouge râpé	<i>L.monocytogenes</i> 4b	0,5 [0,3 – 1,0]	0,4 [0,3 – 0,7]
Eau de process	<i>L.monocytogenes</i> 1/2c	0,6 [0,5 – 0,8]	0,8 [0,5 – 1,3]

Tableau 7 : niveau de détection relatif (1 chiffres significatif)

2.2.4. Conclusion

Le niveau de détection obtenu pour la méthode alternative est compris entre à 0,3 et 2,5 cellules par 25 grammes. Celui de la méthode de référence est compris entre à 0,3 et 2,5 cellules par 25 grammes.

2.3. Sélectivité

L'inclusivité et l'exclusivité de la méthode sont définies par l'analyse, respectivement, de 50 souches positives et de 30 souches négatives.

La méthode VIDAS LDUO permettant de donner une réponse simultanée de *Listeria monocytogenes* et de *Listeria spp*, 50 souches de *Listeria monocytogenes* et 30 souches *Listeria spp* ont été testées (autre que *L.monocytogenes*).

31 souches n'appartenant pas au genre *Listeria* ont été également examinées.

2.3.1. Protocoles d'essai

Protocole pour l'inclusivité

Pour chacune des souches de *Listeria*, une culture en bouillon nutritif a été réalisée pendant 24 heures à 30°C.

Un bouillon LX a été inoculé avec environ 10 *Listeria* par mL, puis le protocole d'enrichissement complet de la méthode a été suivi avant réalisation du test VIDAS LDUO.

Protocole pour l'exclusivité

Les différentes souches négatives ont été cultivées en bouillon nutritif pendant 24 heures à 30°C,ensemencées dans 10 mL de bouillon nutritif afin d'obtenir des niveaux d'environ 10⁵ cellules par mL, puis incubées pendant 24 heures à 30°C avant réalisation du test VIDAS LDUO.

2.3.2. Résultats et conclusion

Les résultats figurent en annexe 4.

Les 50 souches de *Listeria monocytogenes* ont toutes été mises en évidence avec le test DLUO (réponse DLMO positive).

Les 30 souches de *Listeria* autres que *Listeria monocytogenes* ont également été mises en évidence par le test DLUO (réponse DLIS positive).

Aucune réaction croisée n'a été obtenue avec les 31 souches autres que *Listeria*.

2.4. Praticabilité

La praticabilité est étudiée en fonction des 13 critères définis par le bureau technique en comparant la méthode de référence à la méthode VIDAS LDUO.

Les critères définis par l'AFNOR sont renseignés ci-dessous :

<p>1. Mode de conditionnement des éléments de la méthode (cf notice)</p> <p>2. Volume des réactifs (cf notice et emballage des flacons)</p>	<p>Les kits sont conditionnés en coffrets de 60 tests contenant :</p> <ul style="list-style-type: none"> - les cartouches LDUO, en polypropylène, composées de 10 puits recouverts d'une feuille d'aluminium, - les cônes LDUO, en pochettes aluminium de 30 unités, avec un déshydratant, - le flacon de standard LDUO (<i>Listeria monocytogenes</i>) S1 (6 ml) - le flacon de standard LDUO (<i>Listeria</i>) S2 (6 ml) - les flacons de contrôles positifs LDUO (<i>Listeria monocytogenes</i> et <i>Listeria</i>) C1 et C3 (6 ml) - le flacon de contrôle négatif C2 (6 ml)
<p>3. Condition de stockage des éléments (cf notice) – Péremption des produits non ouverts (cf notice)</p>	<p>La température de stockage du test est de 2 - 8 °C. La validité des tests est indiquée sur les coffrets.</p>
<p>4. Modalités d'utilisation après première utilisation (cf notice)</p>	<p>Chaque réactif doit être conservé entre +2°C et +8°C.</p>
<p>5. Equipements ou locaux spécifiques nécessaires (cf notice)</p>	<p>Parmi les équipements nécessaires, il faut :</p> <ul style="list-style-type: none"> un incubateur à 30°C ± 1°C un bain-Marie d'eau bouillante un automate VIDAS
<p>6. Réactifs prêts à l'emploi ou à reconstituer (cf notice)</p>	<p>Tous les réactifs sont prêts à l'emploi.</p>
<p>7. Durée de formation de l'opérateur non initié à la méthode</p>	<p>pour un opérateur formé aux techniques classiques de microbiologie, la formation à la technique nécessite moins de 1 jour.</p>

8. Temps réel de manipulation – Flexibilité de la méthode par rapport au nombre d'échantillons à analyser

Etapas	Temps moyen pour un échantillon (min)		Temps moyen pour 30 échantillon (min)	
	Norme	Alternative	Norme	Alternative
Préparation, pesée, dilution et broyage	7	7	90	90
Repiquage sur bouillons sélectif				
- Fraser 1/2	1	1	25	25
- LX				
Isolement du Fraser ½ et du Fraser sur géloses sélectives : Agar Listeria et autre milieu	2	/	30	/
Lectures	2	/	20	/
Réalisation du test VIDAS	/	5	/	10
TOTAL	12 minutes 0 H 12	13 minutes 0 H 13	165 minutes 2 H 45	125 minutes 2 H 05

Dans le cas d'échantillons positifs, il faut rajouter le temps nécessaire aux confirmations.

Pour la méthode alternative, il faut ajouter le temps nécessaire à l'isolement sur gélose sélective, soit environ 1 minute par échantillon.

Le temps moyen pour la confirmation d'une colonie suspecte à partir d'une gélose sélective a été estimé à environ 5 minutes.

L'intérêt de la méthode alternative réside notamment dans la possibilité de trier les échantillons négatifs des échantillons suspects et d'alléger ainsi les confirmations, ainsi que dans le gain de temps technicien lorsqu'il s'agit d'analyser des séries d'échantillons.

9. Délai d'obtention des résultats

échantillons négatifs

Etape	<u>Délai obtenu</u>	<u>Délai obtenu</u>
	Méthode VIDAS LDUO	Méthode de référence
Réalisation du l'enrichissement primaire	J0	J0
Ensemencements des différents bouillons d'enrichissement secondaire (Fraser 1/2, LX)	J1	J1
Réalisation du test VIDAS LDUO	J2	/
Isolement des bouillons sélectifs sur géloses sélectives	/	J1 & J3
Obtention des résultats négatifs		
- si aucune colonie caractéristique		
- si test VIDAS LDUO négatif	J2	J5
- si test VIDAS LDUO positif et confirmation négative	J3 à J4	

échantillons positifs :

Etape	<u>Délai obtenu</u>		de
	méthode LDUO	VIDAS méthode référence	
Réalisation du l'enrichissement primaire	J0	J0	
Ensemencements des différents bouillons d'enrichissement secondaire (Fraser 1/2, LX)	J1	J1	
Réalisation du test VIDAS LDUO et isolement sur géloses sélectives	J2	/	
Isolement des bouillons sélectifs sur géloses sélectives	/	J1 & J3	
Tests de confirmation :			
<u>Genre</u>			
- Isolement sur TSAYE		J2 à J5	
- Gram, catalase	/	J3 à J6	
<u>Espèce</u>			
- Camp-test, hémolyse, bouillon TSBYE		J3 à J6	
- Utilisation des glucides		J4 à J7	
Obtention des résultats positifs			
<u>Genre</u>	J3	J3 à J6	
<u>Espèce</u>			
- après confirmation par les tests de la méthode de référence	J10	J9 à J12	
- si utilisation de galeries API	J4 à J5		
- après isolement sur gélose chromogène (pour <i>Listeria monocytogenes</i>)	J3 à J4		

10. Type de qualification de l'opérateur	niveau identique à celui nécessaire pour la méthode de référence
11. Etapes communes avec la méthode de référence	Aucune
12. Traçabilité des résultats d'analyse	Une feuille de résultats est imprimée mentionnant les références des réactifs, la date et l'heure, le résultat du test et l'identification de l'échantillon
13. Maintenance par le laboratoire	Le manuel d'utilisation VIDAS explicite quelques problèmes. Un service d'assistance technique par téléphone existe chez bioMérieux. Différents contrats de maintenance préventive sont possibles.

3. Etude interlaboratoires

3.1. Organisation de l'étude

3.1.1. Mise en œuvre

- Nombre de laboratoires participants

17 laboratoires étaient destinataires des échantillons.

- Matrice utilisée

La matrice « lait pasteurisé » a été utilisée pour la réalisation de l'étude interlaboratoires.

- Souche utilisée

La souche utilisée pour les contaminations est une souche de *Listeria monocytogenes* (L37), origine « produits laitiers ».

- Nombre d'échantillons par laboratoire

24 échantillons par laboratoire ont été préparés pour la méthode de référence et 24 échantillons pour la méthode alternative, répartis en 3 niveaux, avec 8 échantillons par niveau.

3.2. Taux de contamination

Les taux de contaminations obtenus dans la matrice figurent dans le tableau ci-dessous:

Niveau	Echantillons	Taux théorique ciblé (UFC/25mL)	Taux réel (UFC/25mL)
Niveau 0	3-4-9-10-15-16-21-22	0	0
Niveau bas	1-2-7-8 -13-14-19-20	3	3,2
Niveau haut	5-6-11-12-17-18-23-24	30	33,0

Tableau 8 : taux de contamination théoriques et réels

Suite aux conditions de transport, 15 laboratoires ont réalisé les analyses.

Deux laboratoires n'ont effectivement pas été inclus dans la liste de laboratoires finale :

- un laboratoire a reçu les échantillons hors délais
- pour un autre laboratoire, la mise à jour du système VIDAS n'avait pas été réalisée.

3.3. Résultats des analyses

Les résultats positifs après confirmation obtenus par les laboratoires collaborateurs et le laboratoire expert sont repris dans les tableaux suivants et en annexe 5 et 6.

Résultats positifs obtenus par la méthode de référence

Laboratoires	Niveaux de contamination					
	L0		L1		L2	
	Obtenu	Nb échantillons	Obtenu	Nb échantillons	Obtenu	Nb échantillons
Laboratoire A	0	8	7	8	8	8
Laboratoire B	0	8	8	8	8	8
Laboratoire C	0	8	7	8	8	8
Laboratoire E	0	8	8	8	8	8
Laboratoire F	0	8	8	8	8	8
Laboratoire G	0	8	8	8	8	8
Laboratoire H	0	8	8	8	8	8
Laboratoire J	0	8	7	8	8	8
Laboratoire K	0	8	8	8	8	8
Laboratoire L	0	8	7	8	8	8
Laboratoire M	0	8	8	8	8	8
Laboratoire N	0	8	7	8	8	8
Laboratoire O	0	8	8	8	8	8
Laboratoire P	0	8	8	8	8	8
Laboratoire Q	0	8	8	8	8	8

Tableau 9 : Résultats positifs après confirmation obtenus par la méthode de référence

Résultats positifs obtenus par la méthode alternative

Laboratoires	Niveaux de contamination					
	L0		L1		L2	
	Obtenu	Nb échantillons	Obtenu	Nb échantillons	Obtenu	Nb échantillons
Laboratoire A	0	8	8	8	8	8
Laboratoire B	0	8	8	8	8	8
Laboratoire C	0	8	8	8	8	8
Laboratoire E	0	8	7	8	8	8
Laboratoire F	0	8	8	8	8	8
Laboratoire G	0	8	8	8	8	8
Laboratoire H	0	8	7	8	8	8
Laboratoire J	0	8	8	8	8	8
Laboratoire K	0	8	8	8	8	8
Laboratoire L	0	8	8	8	8	8
Laboratoire M	0	8	7	8	8	8
Laboratoire N	0	8	8	8	8	8
Laboratoire O	0	8	7	8	8	8
Laboratoire P	0	8	8	8	8	8
Laboratoire Q	0	8	8	8	8	8

Tableau 10 : Résultats positifs après confirmation obtenus par la méthode alternative

Les résultats de la méthode de référence et de la méthode alternative sont concordants et conformes aux résultats attendus pour 6 laboratoires : B, F, G, K, P et Q.

Pour le laboratoire F, un des échantillons non contaminés a été retrouvé positif par le test VIDAS LDUO à la valeur seuil (VT = 0,10) pour la réponse DLIS. Le laboratoire, surpris par cette faible valeur, a isolé le bouillon LX et n'a retrouvé aucune colonie sur les géloses sélectives.

Les résultats des laboratoires A, C, J, L et N sont conformes à ceux attendus uniquement pour la méthode alternative. Ces laboratoires retrouvent chacun un échantillon contaminé au faible taux, négatif par la méthode de référence.

Les résultats des laboratoires E, H, M et O sont conformes à ceux attendus uniquement pour la méthode de référence. Là encore, ces laboratoires retrouvent chacun un échantillon contaminé au faible taux, négatif par la méthode alternative pour les deux réponses DLMO et DLIS.

Ces résultats ne sont pas surprenants puisque deux fois huit échantillons distincts avaient été préparés pour le faible niveau de contamination. Un échantillon n'était mis en œuvre que pour l'une des méthodes (alternative ou référence), les bouillons d'enrichissement primaires étant différents. Il est probable que ces échantillons retrouvés négatifs n'aient pas été contaminés.

3.4. Calculs

Les résultats de 15 laboratoires ont été interprétés.

Note: les résultats positifs de la méthode alternative sont tous confirmés.

Les pourcentages de spécificité (SP) et de sensibilité (SE) étaient les suivants :

Niveau	Méthode de référence		Méthode alternative	
	SP/SE	LCL* %	SP/SE	LCL* %
L0	SP% = 100	98	SP% = 100	98
L1	SE% = 95,8	93	SE% = 96,7	93
L2	SE% = 100	98	SE% = 100	98
L1+L2	SE% = 97,9	96	SE% = 98,3	96

Tableau 11 : pourcentages de spécificité et de sensibilité (* LCL : low critical value, définie par la norme ISO 16140)

L'exactitude relative était de 97,5%.

Il est cependant à noter que dans cette étude, il ne s'agit pas de vrais « couples de résultats » dans la mesure où il s'agit de données non appariées.

Etude des résultats discordants

Selon l'annexe F de la norme EN ISO 16140, le nombre de discordants au-delà duquel un test statistique doit être réalisé afin de comparer les deux méthodes est de 6. Ce test statistique est donc mis en œuvre puisque 9 résultats sont discordants entre les deux méthodes.

Il s'agit de déterminer M, en fonction du nombre total de discordants et en fonction de la norme ISO 16140 (annexe F) et de comparer M à une valeur m, plus petite des deux valeurs de PD et de ND.

Les deux méthodes seront considérées comme équivalentes si $m > M$.

Nombre de résultats discordants	M	m	Conclusion
9	1	4	Equivalence

Comparaison des valeurs d'exactitude relative(AC), de spécificité (SP) et de sensibilité (SE)

Les valeurs obtenues dans les deux parties de l'étude de validation sont reportées dans le tableau ci-dessous :

	Etude collaborative	Etude préliminaire
Exactitude relative (AC)	97,5 %	93,7
Sensibilité (SE)	98,3 %	95,7
Spécificité (SP)	100 %	92,1

Le Bureau Technique AFNOR demande que la sensibilité des deux méthodes soit recalculée en tenant compte de l'ensemble des positifs confirmés (ceci inclut les positifs supplémentaires de la méthode alternative) :

<u>Méthode alternative :</u>	<u>Méthode de référence :</u>
$(PA + PD) / (PA + PD + ND) = 98,3 \%$	$(PA + ND) / (PA + PD + ND) = 97,9 \%$

3.4.1. Interprétation

3.4.1.1. Degré d'accord

Le degré d'accord est le pourcentage de chances de trouver le même résultat pour deux prises d'essai identiques analysées dans le même laboratoire dans des conditions de répétabilité, c'est-à-dire un seul opérateur utilisant le même appareillage et les mêmes réactifs dans l'intervalle de temps le plus court possible.

Pour calculer le degré d'accord, il faut calculer la probabilité que deux échantillons identiques donnent le même résultat, et ceci pour chacun des laboratoires participants, et déterminer ensuite la moyenne des probabilités de l'ensemble des laboratoires.

Les différents tableaux permettant de déduire le degré d'accord figurent en annexe 7 et les degrés d'accord pour chacune des méthodes, à chacun des niveaux sont repris dans le tableau 12 ci-dessous.

Niveau	Méthode de référence	Méthode alternative
L0	DA % = 100 %	DA % = 100 %
L1	DA % = 93 %	DA % = 94 %
L2	DA % = 100 %	DA % = 100 %

Tableau 12 : degré d'accord par niveau et par méthode

3.4.1.2. Concordance

La concordance est le pourcentage de chances de trouver le même résultat pour deux échantillons identiques analysés dans deux laboratoires différents.

Il s'agit donc de calculer le pourcentage de toutes les paires donnant les mêmes résultats sur toutes les paires possibles de résultats.

Les tableaux de résultats permettant de réaliser ces calculs figurent en annexe 9 et les pourcentages de concordance pour chacune des méthodes et à chacun des niveaux sont repris dans le tableau 13 ci-dessous.

Niveau	Méthode de référence	Méthode alternative
L0	Concordance % = 100 %	Concordance % = 100 %
L1	Concordance % = 92 %	Concordance % = 94 %
L2	Concordance % = 100 %	Concordance % = 100 %

Tableau 13 : concordance par niveau et par méthode

3.4.1.3. Odds Ratio

Il est calculé selon la formule suivante : $COR = \frac{\text{degré d'accord} \times (100 - \text{concordance})}{\text{concordance} \times (100 - \text{degré d'accord})}$

Les odds ratio pour chacune des méthodes et à chacun des niveaux figurent dans le tableau 14 ci-dessous.

Niveau	Méthode de référence	Méthode alternative
L0	COR % = 1,00	COR % = 1,00
L1	COR % = 1,01	COR % = 1,01
L2	COR % = 1,00	COR % = 1,00

Tableau 14 : odds ratio par niveau et par méthode

Une valeur pour l'odds ratio de 1,00 signifie que le degré d'accord et la concordance sont égaux.
Plus l'odds ratio est élevé, plus la variation interlaboratoires est prédominante.

4. Conclusions

- Etude comparative

L'étude comparative des méthodes a été réalisée selon le référentiel ISO 16140:2003.

Les performances de la méthode VIDAS *Listeria* Duo (LDUO) ont été comparées à celles de la méthode de référence EN ISO 11290-1/A1:2004 par l'analyse de 466 échantillons répartis dans cinq catégories de produits.

L'exactitude relative obtenue est de 91,2 %, la sensibilité relative de 94,1% et la spécificité relative de 87,7%, selon les calculs demandés par la norme EN ISO 16140 pour le paramètre *Listeria* spp.

L'exactitude relative obtenue est de 93,7 %, la sensibilité relative de 95,7% et la spécificité relative de 92,1%, selon les calculs demandés par la norme EN ISO 16140 pour le paramètre *Listeria monocytogenes*.

Si l'on considère l'ensemble des positifs confirmés, la sensibilité de la méthode alternative est de 94,6% et celle de la méthode de référence est de 90,7 % pour le paramètre *Listeria* spp.

Si l'on considère l'ensemble des positifs confirmés, la sensibilité de la méthode alternative est de 96,1% et celle de la méthode de référence est de 91,0 % pour le paramètre *Listeria monocytogenes*.

Le nombre de résultats discordants obtenu dans cette étude est de 41 pour la réponse *Listeria* spp. sur 280 échantillons positifs et de 23 pour la réponse *Listeria monocytogenes* sur 179 échantillons contenant des *Listeria monocytogenes*

Les deux méthodes sont considérées comme statistiquement équivalentes selon les tests appliqués.

Le niveau de détection relatif de la méthode VIDAS LDUO et de la méthode de référence a été évalué par contaminations artificielles de cinq produits différents.

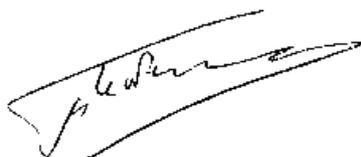
Le niveau de détection obtenu est compris entre 0,3 et 2,5 cellules par 25 grammes pour les deux méthodes.

La spécificité de la méthode est satisfaisante puisque toutes les souches de *Listeria monocytogenes* et de *Listeria* spp ont été détectées (inclusivité) et aucune réaction croisée n'a été observée parmi les souches non cibles testées lorsque le protocole complet de la méthode alternative était mis en œuvre (exclusivité).

- Etude interlaboratoires

Les résultats obtenus pour l'ensemble des 15 laboratoires retenus montrent que la méthode alternative et la méthode de référence ont des valeurs d'exactitude relative, de spécificité et de sensibilité équivalentes et du même ordre que celles obtenues lors de l'étude préliminaire.

La variabilité de la méthode alternative (degré d'accord, concordance) est comparable à celle de la méthode de référence.



Fait à Massy, le 19 décembre 2014

François Le Nestour

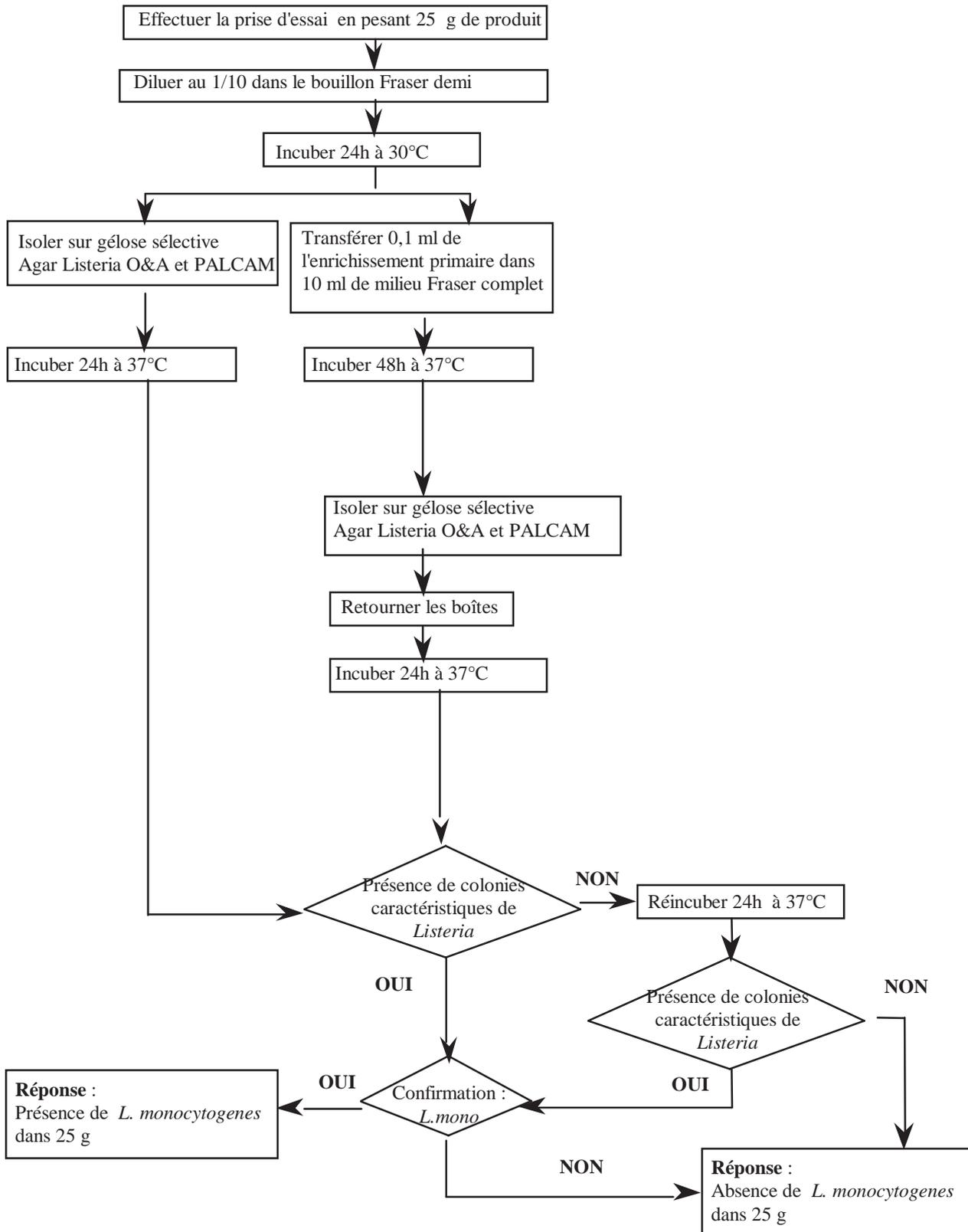
Responsable de l'Unité innovation Biologie

ANNEXES

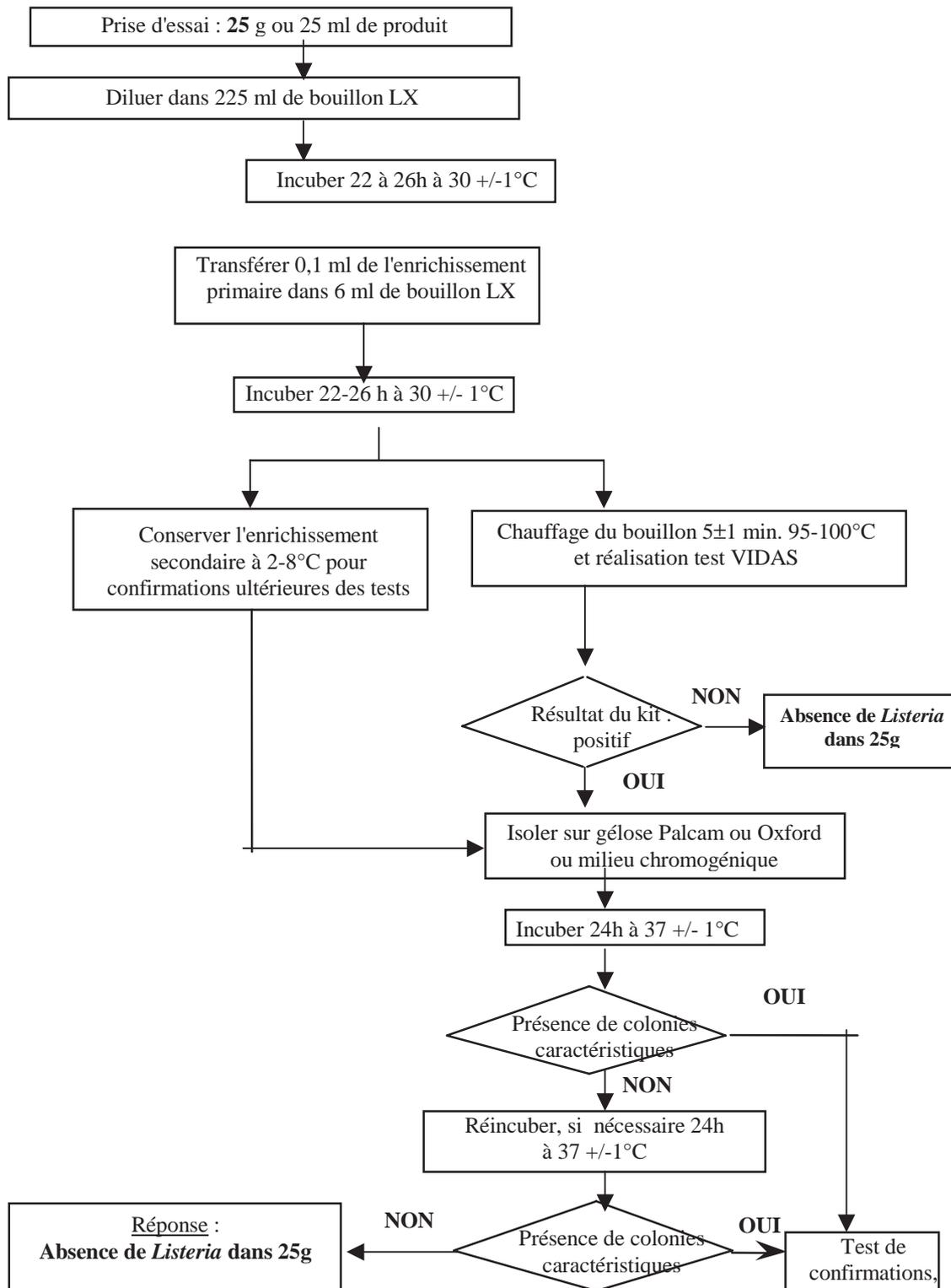
ANNEXE 1 :

PROTOCOLES ANALYTIQUES

NORME EN ISO 11290-1/A1 : 2004 (#)



PROTOCOLE VIDAS LDUO



ANNEXE 2 :

EXACTITUDE RELATIVE, SPECIFICITE RELATIVE,
SENSIBILITE RELATIVE
PAR CATEGORIE D'ECHANTILLONS
-
TABLEAUX DE RESULTATS DETAILLES

LEGENDE

Charge bactérienne

Ø : pas de culture

L = légère

M = moyenne

H = élevée

Répartition de la flore

A = culture pure de colonies suspectes

B = mélange avec une majorité de colonies suspectes

C = mélange avec une minorité de colonies suspectes

D = mélange avec de rares colonies suspectes

E = absence de colonies suspectes

(x) : x colonies caractéristiques de *Listeria* si $x \leq 5$

* : présence de deux types de colonies caractéristiques (*L.monocytogenes* + autre)

a : réincubation des LX pendant 24 heures à 30°C

b : repiquage de 0,1ml en bouillon LX, incubé 24 heures à 30°C, puis re-test LDUO

c : repiquage de 0,1ml en bouillon Fraser, incubé 24 heures à 30°C, puis re-test LDUO

Produits carnés

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO					CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL		
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM	OAA		IDENTIF.	
C23	Cœur de bœuf	PC1	Non	+MA	+MB	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7363	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
D1	Brochette de dinde	PC1	Non	+LA*	+LA*	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	1474	0,37	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	=
D2	Ailerons de poulet	PC1	Non	+MA*	+MA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	10982	2,78	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
D7	Viande hachée de bœuf	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	199	0,05	+	/	/	+ par défaut	+LA	+LA	+LA	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
E2	Viande hachée	PC1	Non	+LA	+LA(2)	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7515	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
E3	Viande hachée	PC1	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8260	2,09	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
E7	Viande hachée	PC1	Non	Ø	Ø	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7980	2,02	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
E10	Bœuf bourguignon maigre	PC1	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	8	0,00	-	7812	3,00	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.welshimeri</i>	+	=
E12	Brochette d'agneau	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F1	Tournedos	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F3	Filet de cheval	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	0	0,00	-	34	0,01	-	/	/	/	/	-	=
F4	Côte de porc	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F5	Rumsteak	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F6	Entrecôte	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	24	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I21	Rognons de porc	PC1	Non	+LA*	+LA*	+HA*	+LA*	<i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	26	0,00	-	6924	2,96	+	+MB	+MA*	+MA*	<i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	=
K1	Pointe de porc émincée	PC1	Oui	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	27	0,00	-	7824	3,34	+	+HA	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=
K4	Viande bovine	PC1	Non & Oui	+LA	+LA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	252	0,06	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
K6	Côte de porc	PC1	Oui	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	169	0,04	-	6845	2,92	+	+HA	+HB	+HA	<i>L.welshimeri</i>	+	=
M1	Rognons d'agneau	PC1	Non	Ø	-ME	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M2	Viande hachée	PC1	Oui	Ø	+LA	+MA	+LA	<i>L.innocua</i>	+	-3	0,00	-	4646	2,06	+	+MA	+LA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
M4	Cuisses de poulet	PC1	Non	+LA	+LA*	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	6	0,00	-	8155	3,62	+	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	=
M6	Blancs de poulet	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M11	Rognons	PC1	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	/	-	=
T11	Magret de canard	PC1	Non	Ø	Ø	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	9390	2,39	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
T16	Viande de veau	PC1	Non	+LA(1)	-LE	+HB	+MB	<i>L.welshimeri</i>	+	9	0,00	-	8603	3,83	+	+MA	+MA*	+MD	<i>L.welshimeri</i>	+	=
T19	Brochettes de dinde	PC1	Non	+LA(4)	+HD	+MA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	10155	2,59	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
V8	Steak haché surgelé	PC1	Non	+LB	+LB	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7871	2,03	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
V9	Magret de canard	PC1	Non	Ø	Ø	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	9836	2,54	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
V14	Filet de poulet	PC1	Non	Ø	Ø	+HA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	1934	0,50	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i>	+	=
W14	Viande hachée de cheval	PC1	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	24	0,00	-	/	/	/	/	-	=

Produits carnés

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
B30	Saucisse	PC2	Non	+HA	+HA	+HA*	+HA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	8627	2,31	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
C19	Chipolatas	PC2	Non	-LE	-LE	Ø	Ø	/	-	8633	2,31	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+MB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i>	+	PS
D3	Merguez	PC2	Non	+MA*	+MB*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	10263	2,60	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	=
D4	Merguez	PC2	Non	Ø	Ø	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	592	0,15	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+MA*	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
D6	Chipolatas	PC2	Non	Ø	Ø	+HC	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	9036	2,29	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
D9	Hachis aux herbes	PC2	Non	+LA*	+LA*	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	5372	1,36	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
D11	Andouillette	PC2	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7809	1,98	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
E9	Chipolatas aux olives	PC2	Non	+LA	+LB	+LB	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	452	0,11	+	/	/	+ par défaut	+MA*	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	=
E11	Saucisse de Toulouse	PC2	Non	+LA*	+LA*	+HA	+HA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	3134	0,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
F2	Chipolatas tomates basilic	PC2	Non	-LE	Ø	-LE	Ø	/	-	-4	0,00	-	39	0,01	-	/	/	/	/	-	=
F7	Chipolatas	PC2	Non	+MA*	+MA*	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	10480	2,80	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+MB*	+MB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
F8	Merguez	PC2	Non	+MB	+LA	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	9529	2,54	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i> <i>L.welshimeri</i>	+	=
G4	Grillade de porc texane	PC2	Non	+MA*	+MA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	9331	2,36	+	/	/	+ par défaut	+MA*	+MB	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
G10	Poitrine aux herbes	PC2	Non	+HA	+HA	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7937	2,01	+	/	/	+ par défaut	+MA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G11	Poitrine épicée	PC2	Non	+HA*	+HA*	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	9639	2,44	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I8	Hamburger	PC2	Non	+LA	+MA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7818	1,99	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I9	Hot Dog	PC2	Non	Ø	-LE	-LE	Ø	/	-	0	0,00	-	61	0,02	-	/	/	/	/	-	=
M3	Boudin noir	PC2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M8	Merguez	PC2	Non	+HB	+HB	+MB	+MB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	9253	2,33	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA*	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
M12	Boudin noir	PC2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	16	0,00	-	/	/	/	/	-	=
T10	Steak haché aux oignons	PC2	Non	+LA(3)	+LB	+HB	+MA	<i>L.innocua</i>	+	9	0,00	-	8008	3,56	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
T15	Burger tomates	PC2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	11	0,00	-	7048	3,13	+	+HA	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	PS
V12	Farce à tomates	PC2	Non	-LE	-LE	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	16	0,00	-	/	/	/	/	-	=
V16	Burger tomates	PC2	Non	Ø	Ø	+HA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	27	0,00	+	7573	2,65	+	+HA	+HA*	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	=
V18	Viande hachée bolognaise	PC2	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	33	0,01	-	/	/	/	/	-	=

Produits carnés

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO										COMPARAISON	
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO					CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT						RESULTAT FINAL
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM	OAA	IDENTIF.		
C26	Pâté forestier	PC3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	25	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D5	Lardons	PC3	Non	+MA*	+MA*	+HA*	+MA*	L.monocytogenes L.innocua L.welshimeri	+	8706	2,20	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HB	L.monocytogenes L.innocua	+	=
D8	Jambon cru	PC3	Non	+MA	+MA	+MA	+MA	L.welshimeri	+	61	0,01	-	7666	2,94	+	+HA	+HA	+HA	L.welshimeri	+	=
D10	Viande hachée	PC3	Non	+LA(4)	+LA*(2)	+HA*	+HA*	L.monocytogenes L.innocua	+	1339	0,33	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA*	L.monocytogenes L.innocua	+	=
E5	Pâté de campagne	PC3	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	38	0,01	-	/	/	/	/	-	=
E6	Saucisse de Strasbourg	PC3	Non	-LE	Ø	-LE	Ø	/	-	-3	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
E8	Pâté de campagne	PC3	Non	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	44	0,01	-	/	/	/	/	-	=
F9	Pâté de campagne	PC3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	50	0,01	-	/	/	/	/	-	=
F10	Jambon cru	PC3	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F11	Pâté de foie	PC3	Non	Ø	Ø	-ME	-LE	/	-	-4	0,00	-	54	0,01	-	/	/	/	/	-	=
G3	Jambon de Paris	PC3	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	L.monocytogenes	+	7946	2,01	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA	L.monocytogenes	+	=
I6	Saucisson à l'ail	PC3	Non	Ø	Ø	-ME	-LE	/	-	-2	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I7	Paté à l'échalotte	PC3	Non	Ø	Ø	-ME	Ø	/	-	-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I10	Langue en gelée	PC3	Non	+LA	+LA	+HA	+MA	L.monocytogenes	+	-3	0,00	-	23	0,00	-	Ø	Ø	Ø	/	-	FN
I11	Pâté de tête	PC3	Non	+MA	+MB*	+MA*	+MA*	L.monocytogenes L.innocua	+	10504	2,67	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+HA*	+HA*	L.monocytogenes L.innocua	+	=
I12	Jambonneau	PC3	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	L.monocytogenes	+	8991	2,29	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	L.monocytogenes	+	=
I13	Magret de canard	PC3	Non	+LA*	+LA*	+HA*	+MA*	L.monocytogenes L.innocua	+	9599	2,44	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA*	+MA*	L.monocytogenes L.innocua	+	=
I14	Terrine de lapin	PC3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	30	0,01	-	/	/	/	/	-	=
I15	Pâté de foie artisanal	PC3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I16	Pâté de pays	PC3	Oui	+MA	+MA	+HA	+MA	L.welshimeri	+	6	0,00	-	7054	3,01	+	+MA	+HA	+MA	L.welshimeri	+	=
I17	Mousse de canard	PC3	Oui	-LE	Ø	-ME	Ø	/	-	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I18	Tourte à la volaille	PC3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I19	Steak de bœuf	PC3	Oui	+MA	+MA	+HA	+MA	L.welshimeri	+	172	0,04	-	6293	2,69	+	+MA	+MA	+MA	L.welshimeri	+	=
I20	Roulade de jambon	PC3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
K2	Gésier de volaille	PC3	Oui	+HA	+MA	+HA	+MA	L.innocua	+	7	0,00	-	7930	3,39	+	+HA	+HA	+HA	L.innocua	+	=
K3	Mortadelle	PC3	Oui	+LA	+MB	+HA	+HA	L.innocua	+	29	0,00	-	7682	3,28	+	+HA	+HA	+HA	L.innocua	+	=
K5	Jambon	PC3	Oui	+MA	+MA	+HA	+MA	L.welshimeri	+	8	0,00	-	7880	3,38	+	+HA	+HA	+HB	L.welshimeri	+	=
K7	Langue en gelée	PC3	Oui	+MA	+MA	+HA	+HA	L.welshimeri	+	15	0,00	-	7794	3,33	+	+HA	+HA	+HA	L.welshimeri	+	=
K8	Potjevlesch	PC3	Oui	+HA	+HA	+HA	+MA	L.welshimeri	+	-2	0,00	-	7565	3,23	+	+MB	+MB	+MA	L.welshimeri	+	=
K9	Jambon de Bayonne	PC3	Oui	+MA*	+MA	+HA	+MA*	L.innocua L.welshimeri	+	7	0,00	-	7821	3,34	+	+HA	+HA	+HA*	L.innocua L.welshimeri	+	=
K10	Pâté de viande	PC3	Oui	+HA*	+HA*	+HA	+MA*	L.innocua L.welshimeri	+	5	0,00	-	7740	3,30	+	+HA	+HB	+HB*	L.innocua L.welshimeri	+	=
L1	Emincé de porc à la toscane	PC3	Oui	Ø	+LA	+HA	+MA	L.welshimeri	+	-3	0,00	-	21	0,00	-	Ø	Ø	-ME	/	-	FN
L2	Saucisses de Strasbourg	PC3	Oui	+LA	+LA	+HA	+HA	L.welshimeri	+	8	0,00	-	7975	3,54	+	+HA	+HA	+HA	L.welshimeri	+	=
L3	Rillettes	PC3	Oui	+LA	+LA	+HA	+HA	L.ivanovii	+	-3	0,00	-	38	0,01	-	Ø	Ø	Ø	/	-	FN
L4	Rillettes de poulet	PC3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M5	Rosette	PC3	Oui	+HA(2)	+MA	+MA	+MB	L.monocytogenes L.innocua	+	8149	2,05	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	L.monocytogenes L.innocua	+	=
M7	Cervelas	PC3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M9	Jambon	PC3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M10	Pâté en croûte	PC3	Non	Ø	Ø	-LE	Ø	/	-	-2	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
T12	Lardons fumés	PC3	Non	+LA(2)	+MA	+HA*	+MA*	L.monocytogenes L.welshimeri	+	10064	2,57	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	L.monocytogenes L.welshimeri	+	=
T13	Saucisse à tartiner	PC3	Non	+MA*	+MA*	+HB	+MA*	L.monocytogenes L.welshimeri	+	9739	2,48	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA	L.monocytogenes L.welshimeri	+	=
T14	Pâté de foie	PC3	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	28	0,01	-	Ø	Ø	-LE	/	-	=
T17	Saucisse à tartiner	PC3	Non	+MA	+MA*	+HB	+MA	L.innocua L.welshimeri	+	9	0,00	-	7075	3,15	+	+HA	+HA	+MA	L.innocua	+	=
T18	Langue en gelée	PC3	Non	+LB	+LC	+MB	+MA*	L.monocytogenes	+	7159	1,82	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA	L.monocytogenes	+	=
V10	Saucisses de Strasbourg	PC3	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	7711	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	L.monocytogenes	+	PS
V11	Lardons fumés	PC3	Non	Ø	+LA	+HA	+HA	L.welshimeri	+	7529	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	L.monocytogenes L.welshimeri	+	=
V13	Jambon grillé	PC3	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	L.monocytogenes	+	7299	1,88	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	L.monocytogenes	+	=
V15	Poitrine fumée	PC3	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	L.monocytogenes	+	6943	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+MA	L.monocytogenes	+	=
V17	Lardons	PC3	Non	+LA	+LB	+MA	+MA	L.monocytogenes L.welshimeri	+	9735	2,52	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA*	L.monocytogenes L.welshimeri	+	=
W15	Lardons	PC3	Non	+LA	+LA	+HA	+HB	L.monocytogenes	+	7707	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	L.monocytogenes	+	=
X16	Lardons	PC3	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	L.innocua	+	1	0,00	-	7853	2,75	+	+MA	+HA	+HA	L.innocua	+	=
X17	Poitrine fumée	PC3	Non	+LA(2)	+LA	+HA	+MA	L.monocytogenes	+	9129	2,36	+	/	/	+ par défaut	+MB	+HA	+HB	L.monocytogenes	+	=

Produits laitiers

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
B2	Maroilles	PL1	Non	+LB	+LA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7049	1,88	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B4	Maroilles fermier	PL1	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8091	2,16	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B6	Maroilles	PL1	Non	+LB	+LB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8772	2,35	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B17	Maroilles	PL1	Non	-LE	-LE	-ME	Ø	/	-	-2	0,00	-	31	0,01	-	/	/	/	/	-	=
B18	Epoisses	PL1	Non	+MA	+MB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8071	2,16	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B19	Maroilles	PL1	Non	+LA	+LA	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	8414	2,25	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B23	Maroilles	PL1	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	9450	2,53	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B24	St Germain	PL1	Non	+LB	+LA	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8512	2,28	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C7	Fromage au lait cru	PL1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	9209	3,25	+	+HA	+LA	+LB	<i>L.seeligeri</i>	+	PS
C8	Epoisses	PL1	Non	+LA	+LA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7015	1,87	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C18	Tomme de Cambrai	PL1	Non	+MA	+HA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	11453	3,06	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
C22	Epoisses	PL1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	32	0,01	-	/	/	/	/	-	=
C25	Maroilles	PL1	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D12	Coulommiers	PL1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-1	0,00	-	44	0,01	-	/	/	/	/	-	=
D13	Maroilles	PL1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D14	Munster	PL1	Non	Ø	-ME	Ø	Ø	/	-	0	0,00	-	592	0,22	+	+MB	+MA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	PS
D15	Camembert	PL1	Non	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D16	Reblochon	PL1	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D17	Reblochon	PL1	Non	Ø	-ME	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D18	Neufchâtel	PL1	Non	-ME	-ME	-ME	Ø	/	-	-3	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D19	Fromage de Langres	PL1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	1	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
G1	Morbier	PL1	Non	+MA	+MB	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7924	2,01	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G2	Morbier	PL1	Non	Ø	-ME	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H1	Gruyère râpé	PL1	Oui	Ø	Ø	Ø	-ME	/	-	9	0,00	-	7931	3,39	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	PS
H2	Vieux pâné	PL1	Oui	Ø	+LA(1)	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	116	0,02	-	7460	3,18	+	+HB	+HB	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=
H5	Reblochon	PL1	Oui	+LA	+LB	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	14	0,00	-	7932	3,39	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
H6	Reblochon	PL1	Oui	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-5	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I3	Roquefort	PL1	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I5	Brie	PL1	Non	Ø	-ME	-LE	-ME	/	-	6	0,00	-	230	0,09	-	/	/	/	/	-	=
I22	Brie	PL1	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	27	0,01	-	/	/	/	/	-	=
L5	Camembert	PL1	Oui	Ø	+LA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	8	0,00	-	8002	3,55	+	+HA	+HB	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
L6	Munster	PL1	Oui	+LA	+LB	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	-3	0,00	-	37	0,01	-	Ø	Ø	Ø	/	-	FN
L7	Fromage double crème	PL1	Oui	+HA*	+HA*	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	8	0,00	-	7837	3,48	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
L8	Leerdamer	PL1	Oui	+HA	+MA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	6	0,00	-	7833	3,47	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
P4	Epoisses	PL1	Non	+HB	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7342	1,85	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P6	Maroilles	PL1	Non	+LA	+HC	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8008	2,02	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P7	Maroilles	PL1	Non	+LB	+LB	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7557	1,90	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=

Produits laitiers

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO					CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL		
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM	OAA		IDENTIF.	
B8	Crème de roquefort	PL2	Non	+LA(4)	+LA	-ME	+LB(1)	<i>L.monocytogenes</i>	+	9049	2,42	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
B10	Crème de roquefort	PL2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
B15	Rond du vinage	PL2	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	27	0,00	-	/	/	/	/	-	=
B16	Ossau Iraty	PL2	Non	Ø	+LB	-LE	-LE	<i>L.seeligeri</i>	+	7636	2,04	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B21	Fromage au lait cru	PL2	Non	+LA	+LB	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	11171	2,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B22	Fromage au lait cru	PL2	Non	+LA	+MC	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7592	2,03	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.seeligeri</i>	+	=
C9	Petit vinageois	PL2	Non	+MA	+MB	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7301	1,95	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C10	Fromage de chèvre	PL2	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	1710	0,45	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
C11	Carré du vinage	PL2	Non	-LE	-LE	Ø	Ø	/	-	0	0,00	-	103	0,03	-	/	/	/	/	-	=
C24	Picodon	PL2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D20	Fromage de caprin	PL2	Non	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-1	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H3	Ossau Iraty	PL2	Oui	-LE	-LE	-LE	-ME	/	-	-3	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	/	-	=
H4	Brie	PL2	Oui	Ø	-ME	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	/	-	=
I4	Crottin de chèvre	PL2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	103	0,02	-	99	0,04	-	/	/	/	/	-	=
P8	Chevroin fermier	PL2	Non	Ø	-LE	-ME	-ME	/	-	-2	0,00	-	25	0,01	-	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=
P13	Fromage de chèvre	PL2	Non	+HB	+MA	+HA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	10	0,00	-	7057	3,13	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	=
R21	Boule du vinage	PL2	Non	+LB	+MB	+MB	+MB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	10129	2,60	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
V1	Bûche de chèvre	PL2	Non	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-4	0,00	-	90	0,03	-	/	/	/	/	-	=
W16	Fromage de chèvre	PL2	Non	Ø	Ø	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
X18	Fromage de chèvre	PL2	Non	+LA(1)	+LA(1)	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	412	0,10	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
X19	Fromage de chèvre	PL2	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	9755	2,52	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B5	Coupe Profiteroles	PL3	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7825	2,09	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B9	Coupe Profiteroles	PL3	Non	+MA	+MA	+HA*	+HA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	7370	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+HA*	+HA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B11	Tartelettes fraises	PL3	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	25	0,00	-	/	/	/	/	-	=
B29	Tartelettes fraises	PL3	Non	Ø	Ø	-LE	-LE	/	-	-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
C12	Chou chantilly	PL3	Non	+MA	+HA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7981	2,13	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
C13	Gâteau à la crème	PL3	Non	+LA	+LB	Ø	-ME	<i>L.grayi</i>	+	-4	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	FN
E4	Petits suisses au chocolat	PL3	Non	Ø	Ø	-ME	-LE	/	-	-3	0,00	-	14	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I1	Fromage blanc 0%	PL3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I2	Fromage blanc 20%	PL3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I23	Poudre de lait	PL3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	1	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	/	-	=
I24	Poudre de lait	PL3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	29	0,01	-	/	/	/	/	-	=
I25	Poudre de lait	PL3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J18	Poudre de lait	PL3	Oui	Ø	Ø	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	6915	1,76	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
J19	Poudre de lait	PL3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	8	0,00	-	7246	3,09	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	PS
J20	Poudre de lait	PL3	Oui	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	-3	0,00	-	23	0,00	-	Ø	Ø	Ø	/	-	FN
J21	Chou chantilly	PL3	Oui	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	6697	1,70	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
J22	Fraises melba	PL3	Oui	+LA(1)	+LB(1)	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	46	0,01	-	6805	2,90	+	+HB	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
J28	Glace fraise	PL3	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	6	0,00	-	7544	3,32	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	PS
J29	Glace vanille	PL3	Oui	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	5	0,00	-	7311	3,12	+	+HA	+HB	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
L9	Tarte normande	PL3	Oui	+HA	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	7	0,00	-	7718	3,42	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
L10	Flan pâtissier	PL3	Oui	+HA*	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	9	0,00	-	7719	3,42	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
L11	Glace vanille fraise	PL3	Oui	+MA	+MA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	37	0,00	-	7690	3,41	+	+HA	+HB	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	=
P5	Chou à la crème	PL3	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7382	1,86	+	/	/	+ par défaut	+MA*	+MA*	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=

Produits laitiers

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
I26	Lait cru	PL4	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I27	Lait cru	PL4	Oui	-LE	Ø	-LE	Ø	/	-	-3	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I28	Lait cru	PL4	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	34	0,01	-	/	/	/	/	-	=
J14	Lait cru	PL4	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	6926	1,76	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	PS
J15	Lait cru	PL4	Oui	+LA(1)	+LA(2)	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	6	0,00	-	7033	3,00	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
J16	Lait cru	PL4	Oui	+LA	+MA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	6	0,00	-	7156	3,05	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
J17	Lait cru	PL4	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	3054	0,77	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	PS
J23	Lait cru	PL4	Non	Ø	Ø	-LE	-LE	/	-	-2	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J24	Lait cru	PL4	Non	Ø	Ø	-LE	-ME	/	-	-3	0,00	-	27	0,01	-	/	/	/	/	-	=
J25	Lait cru	PL4	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J26	Lait cru	PL4	Non	Ø	Ø	-ME	-ME	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J27	Lait cru	PL4	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	36	0,01	-	/	/	/	/	-	=
L12	Lait cru	PL4	Oui	+MB	+MB	+HB	+HB	<i>L.innocua</i>	+	8	0,00	-	7722	3,43	+	+HA	+HB	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=
N1	Lait cru	PL4	Non	+LA	+LB	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	8	0,00	-	8082	3,59	+	+HA	+HB	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=
N2	Lait cru	PL4	Non	+LA	+LA*	+MA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	8371	2,11	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=

Produits de la pêche

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO					CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL		
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM	OAA		IDENTIF.	
G5	Pavé de saumon	PP1	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7909	2,00	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G8	Pavé de saumon	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	7666	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
G18	Pavé de saumon	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I36	Pavé de thon	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	10839	2,92	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
I40	Rôti de saumon frais	PP1	Non	+MA	+MA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7132	1,92	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
M13	Filet de poisson	PP1	Oui	+LA(1)	+LA(1)	+LA	+LA	<i>L.welshimeri</i>	+	-3	0,00	-	38	0,01	-	+HA	+MA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	-	FN Direct & = 72H
M14	Filet de Panga	PP1	Non	+MB	+MB	+MB	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7718	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
M15	Roussette	PP1	Oui	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	-2	0,00	-	22	0,00	-	Ø	Ø	Ø	/	-	FN
M16	Filet de sabre	PP1	Oui	+LA(3)	+LA	+LA	+LA	<i>L.welshimeri</i>	+	-3	0,00	-	25	0,01	-	+MB	+MA	+MB	<i>L.welshimeri</i>	-	FN
M17	Filet de colin	PP1	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	10072	2,54	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
M18	Crevettes Black tiger	PP1	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M19	Filet de perche	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M20	Filet de tacaud	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M21	Filet de perche	PP1	Non	Ø	-ME	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	28	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M22	Pavé de cabillaud	PP1	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M23	Darne de requin	PP1	Non	Ø	Ø	-LE	-ME	/	-	-2	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M24	Filet de Panga	PP1	Non	+MB	+MB	+MA	+LB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7895	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
M25	Filet de sabre	PP1	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	34	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M26	Filet de colin	PP1	Non	Ø	+LA	Ø	+LA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7587	1,91	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
Q1	Carpaccio de saumon	PP1	Non	+LA	+LA	+HA	+HA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	7644	1,96	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
Q2	Filet de dorade	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
Q3	Filet de cabillaud	PP1	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	/	-	=
Q4	Filet de sabre	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
Q5	Crevettes cuites	PP1	Non	+LB	+LB*	+MA	+MA*	<i>L.innocua</i> <i>L.seeligeri</i>	+	6	0,00	-	8195	3,59	+	+MB	+MA	+MA	<i>L.innocua</i> <i>L.seeligeri</i>	+	=
Q9	Filets de maquereaux	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	33	0,01	-	/	/	/	/	-	=
Q21	Pavés de saumon surgelés	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	42	0,01	-	/	/	/	/	-	=
Q22	Pavés de saumon surgelés	PP1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
R4	Pavés de saumon surgelés	PP1	Non	Ø	+LA(1)	+MB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7470	1,92	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
R5	Filets de harengs	PP1	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	/	-	=
R6	Filets de harengs	PP1	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	9266	2,38	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
R8	Crevettes	PP1	Non	+LA	+MB*	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7510	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
R10	Crevettes	PP1	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	/	-	=
R12	Filet de cabillaud	PP1	Oui	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-4	0,00	-	31	0,01	-	/	/	/	/	-	=
R13	Filet de lieu noir	PP1	Oui	Ø	-LE	+LA	+LA	<i>L.innocua</i>	+	-1	0,00	-	10622	4,66	+	+MA	+MA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=
R14	Filet de saumon	PP1	Oui	Ø	Ø	+MA	+LA	<i>L.innocua</i>	+	1	0,00	-	9811	4,30	+	+HA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
R15	Langoustines	PP1	Oui	Ø	Ø	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	5	0,00	-	8188	3,59	+	+HB	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=
S2	Crevettes	PP1	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	-LE	Ø	Ø	/	-	=
S4	Crevettes	PP1	Oui	+MA	+MA	+MB	+MB	<i>L.innocua</i>	+	7	0,00	-	8144	3,62	+	+HB	+HB	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
S5	Filet de cabillaud	PP1	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	42	0,00	-	7984	3,55	+	+HA	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	PS
S6	Filet de lieu noir	PP1	Oui	Ø	Ø	+LA	+LB	<i>L.innocua</i>	+	-5	0,00	-	6045	2,69	+	+MA	+MA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=
U1	Crevettes	PP1	Non	Ø	+LA	+MA	+HA	<i>L.seeligeri</i>	+	7478	1,91	+	/	/	+ par défaut	/	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.seeligeri</i>	+	=
U2	Crevettes	PP1	Oui	+LA	+LA	Ø	Ø	<i>L.innocua</i>	+	7	0,00	-	7395	3,29	+	/	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=

Produits de la pêche

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
G6	Brisures de saumon	PP2	Non	Ø	+LA	+LB	+LB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7606	1,92	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G7	Brisures de saumon	PP2	Non	+MA*	+MA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	8013	2,03	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G14	Saumon fumé	PP2	Non	+LA	+MB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7384	1,87	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G15	Saumon fumé	PP2	Non	+MA	+MB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7164	1,81	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G16	Saumon fumé	PP2	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7539	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G17	Saumon fumé	PP2	Non	+MA	+MA*	+HA*	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7553	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G9	Brisures de saumon	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	33	0,01	-	/	/	/	/	-	=
I33	Truite fumée	PP2	Non	+LA	+LA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7762	2,09	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I34	Saumon fumé Norvège	PP2	Non	+LB	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7904	2,12	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I35	Saumon fumé Atlantique	PP2	Non	+LA	+LA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7286	1,96	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I37	Saumon fumé Ecosse	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	7678	2,06	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
I38	Saumon fumé Ecosse	PP2	Non	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7831	2,11	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I39	Truite fumée	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	7340	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
R3	Brisures de saumon	PP2	Non	Ø	+LA	Ø	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7336	1,89	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
R7	Saumon fumé	PP2	Non	+LA	+LB	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7428	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
S1	Eglefin fumé	PP2	Non	Ø	+LA	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	5740	1,46	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
S3	Saumon fumé Atlantique	PP2	Oui	+HB	+MA	+MB	+MB	<i>L.innocua</i>	+	-3	0,00	-	21	0,00	-	Ø	Ø	-LE	Ø	-	FN
T8	Saumon fumé Atlantique	PP2	Oui	Ø	Ø	Ø	-ME	/	-	-3	0,00	-	20	0,00	-	Ø	Ø	-ME	/	-	=
T9	Flétan fumé	PP2	Oui	Ø	-LE	-LE	-ME	/	-	-2	0,00	-	21	0,00	-	Ø	Ø	-ME	/	-	=
U3	Truite fumée	PP2	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	5	0,00	-	7665	3,41	+	/	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	PS
U4	Colin d'Alaska fumé	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
U5	Saumon fumé de Norvège	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
U6	Truite fumée des Pyrénées	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	/	-	=
U7	Allumettes de saumon fumé	PP2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
U8	Truite fumée d'Aquitaine	PP2	Non	Ø	+LA(3)	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7289	1,86	+	/	/	+ par défaut	/	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G12	Tartare de saumon	PP3	Non	Ø	Ø	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8000	2,02	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G13	Tartare de saumon	PP3	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7278	1,84	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
I41	Filets de harengs marinés	PP3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	24	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I42	Poisson à la Bordelaise	PP3	Non	+HA*	+MA*	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	6647	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
Q6	Tarama	PP3	Non	Ø	Ø	-LE	Ø	/	-	-2	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
Q7	Tarama	PP3	Non	-LE	-LE	-LE	Ø	/	-	-3	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	/	-	=
Q8	Filets de harengs marinés	PP3	Non	+LD	+MA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7680	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
Q10	Paupiettes de saumon aux légumes	PP3	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	3233	1,41	+	+MA	+MA	+MA	<i>L.welshimeri</i>	+	PS
Q11	Brochettes de poisson blanc	PP3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
Q12	Brochettes de saumon	PP3	Non	+LB(1)	+LA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	893	0,23	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
Q23	Morue salée	PP3	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	/	-	=
R9	Harengs saurs	PP3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
R11	Accras de morue	PP3	Oui	Ø	Ø	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	7	0,00	-	8064	3,53	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
S7	Filet de colin aux petits légumes	PP3	Oui	Ø	Ø	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	6	0,00	-	7155	3,18	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=

Végétaux

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1					Méthode LDUO											COMPARAISON	
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO					CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL		
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM	OAA			IDENTIF.
B7	Brocolis surgelés	PV1	Non	+LA	+LA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7495	2,00	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B12	Frites surgelées	PV1	Non	+LA	+LB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7984	2,13	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
B20	Pommes rissolées surgelées	PV1	Non	+LB	+LA	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8906	2,38	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C1	Pommes de terre surgelées	PV1	Non	-LE	+LA	Ø	Ø	<i>L.grayi</i>	+	6710	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C4	Brocolis surgelés	PV1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
C5	Frites surgelées	PV1	Non	+MA	+MB	+MB	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	10757	2,88	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C6	Pommes de terre et oignons surgelées	PV1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	Ø	Ø	-ME	Ø	-	=
C20	Frites surgelées	PV1	Non	-LE	-LE	Ø	-LE	/	-	-5	0,00	-	24	0,00	-	/	/	/	/	-	=
C21	Frites surgelées	PV1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
E21	Haricots verts	PV1	Non	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	5	0,00	-	8395	3,22	+	+HA	+MB	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
F15	Frites surgelées	PV1	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F16	Frites surgelées	PV1	Non	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-6	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
P1	Frites surgelées précuites	PV1	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	8606	2,17	+	/	/	+ par défaut	+LA	+HB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P2	Frites surgelées	PV1	Non	+HA	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7388	1,86	+	/	/	+ par défaut	+LA*	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
P3	Frites surgelées Tradition	PV1	Non	+MA	+MA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7314	1,84	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+LA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
Q13	Haricots verts	PV1	Oui	+MA	+MA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	7	0,00	-	7214	3,16	+	+HA	+HB	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
R1	Pommes de terre rissolées surgelées	PV1	Non	+MA	+MB	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7417	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
R2	Frites surgelées	PV1	Non	+MB	+MB*	+HB	+MB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7667	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MB*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
S10	Frites surgelées	PV1	Non	+MA	+MB	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	6742	1,72	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
S11	Pommes de terre rissolées surgelées	PV1	Non	+MA	+MB	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	10144	2,59	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
S19	Frites surgelées	PV1	Oui	+MB	+MB	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7615	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
T1	Pommes de terre rissolées surgelées	PV1	Non	+MA	+MB*	+HA	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	4959	1,77	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
T2	Frites surgelées	PV1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	23	0,01	-	Ø	Ø	-ME	/	-	=
T5	Champignons surgelés	PV1	Oui	+LA	+LB	+LA	+MA	<i>L.seeligeri</i>	+	6	0,00	-	8270	3,68	+	+MA	+MA	+MB	<i>L.seeligeri</i>	+	=

Végétaux

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO												COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL				
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.		
B25	Salade	PV2	Non	+LA(1)	+LA(2)	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	3340	0,89	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
B26	Chou rouge	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
B27	Céleri râpé	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E1	Salade mélangée	PV2	Non	Ø	-LE	-LE	-LE	/	-	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E13	Légumes crus mélangés	PV2	Non	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E14	Céleri râpé	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E15	Carottes râpées	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E16	Carottes râpées	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E17	Champignons crus	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E18	Chou rouge cru	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E19	Chou rouge cru	PV2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	14	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
E20	Champignons crus	PV2	Non	Ø	-LE	-LE	-ME	/	-	-1	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
F13	Feuille de chêne	PV2	Non	-LE	Ø	-LE	Ø	/	-	-3	0,00	-	28	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
F14	Mélange de salade	PV2	Non	-LE	-LE	-ME	-ME	/	-	-4	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
F17	Crudités râpées mélangées	PV2	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
Q14	Carottes - Oignons	PV2	Oui	+LA	+MC	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	3	0,00	-	8353	3,66	+	+HA	+MA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=	
Q15	Mélange catalan	PV2	Oui	+LA	+LC	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	14	0,00	-	7276	3,19	+	+HA	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=	
Q16	Soja	PV2	Oui	+LA	+LC	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	45	0,01	-	6880	3,01	+	+HA	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=	
Q17	Salade épinards	PV2	Oui	+LA	+LC	+MA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	11	0,00	-	7340	3,22	+	+HA	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=	
Q18	Chou rouge	PV2	Oui	+LA	+LD	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	-3	0,00	-	23	0,01	-	Ø	Ø	Ø	Ø	-	FN	
Q19	Salade	PV2	Oui	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	-LE	-ME	-ME	/	-	=	
Q20	Mélange carottes, céleri, poivrons	PV2	Oui	+LA	+LC	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	47	0,01	-	7316	3,21	+	+HA	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=	
Q24	Carottes & chou	PV2	Oui	+LA	+LB	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	10	0,00	-	7299	3,20	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=	
Q25	Mache	PV2	Oui	+LB	+LC	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	6752	1,73	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MB*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
R16	Concombres	PV2	Oui	-LE	-ME	Ø	-ME	/	-	-4	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
R17	Brocolis	PV2	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
R18	Carottes	PV2	Oui	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
R19	Mâche	PV2	Oui	Ø	-ME	Ø	-ME	/	-	-2	0,00	-	25	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
R20	Chou blanc	PV2	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
S8	Carottes	PV2	Oui	Ø	Ø	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	-4	0,00	-	23	0,01	-	Ø	Ø	-HE	/	-	FN	
S9	Champignons	PV2	Oui	+LA(1)	Ø	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	788	0,20	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HB	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
S12	Chou rouge	PV2	Oui	+LA(2)	+LA(1)	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	-5	0,00	-	19	0,00	-	Ø	Ø	-ME	/	-	FN	
S17	Champignons	PV2	Non	+LB(2)	-ME	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7210	1,84	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
S18	Champignons	PV2	Non	Ø	-ME	Ø	-ME	/	-	-5	0,00	-	83	0,03	-	Ø	-ME	-HE	/	-	=	
T6	Salade mélangée	PV2	Oui	+LA	+LB	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	10620	2,71	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
L125-1	Chou rouge	PV2	Oui	Ø	Ø	-LE	-LE	/	-	25	0,00	-	2001	0,89	+	/	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS	
L125-2	Chou rouge	PV2	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
L125-3	Chou rouge	PV2	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
L125-4	Chou rouge	PV2	Oui	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
L125-5	Chou rouge	PV2	Oui	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	1	0,00	-	78	0,03	-	/	/	/	/	-	=	

Végétaux

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO												COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL				
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.		
B1	Riz en salade	PV3	Non	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7692	2,06	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
B3	Poêlée campagnarde	PV3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
B13	Tagliatelles	PV3	Non	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7664	2,05	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
B14	Tagliatelles	PV3	Non	+MA	+MA	+MA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	6953	1,86	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
C2	Farfales	PV3	Non	+LA	Ø	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	6828	1,82	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
C3	Epinards à la crème	PV3	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8753	2,34	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
E22	Purée de carottes	PV3	Non	Ø	Ø	-ME	Ø	/	-	-2	0,00	-	31	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
F12	Brocolis cuits	PV3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=	
Q26	Brochettes de légumes	PV3	Oui	+LB	+LB	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	11	0,00	-	8013	3,51	+	+HA	+MA	+MB*	<i>L.innocua</i>	+	=	
S13	Soupe de légumes	PV3	Oui	+LA(3)	+LA(1)	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7741	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
S14	Salade céleri betteraves	PV3	Oui	+LB	+MC	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	6943	1,77	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
S15	Ratatouille	PV3	Oui	+LA	+LA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	6906	1,76	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
S16	Flocons de pommes de terre	PV3	Oui	+MB	+MB	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7061	1,80	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=	
T3	Galettes chou fleur brocolis	PV3	Non & Oui	+MA	+MB	+MB*	+MB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	2659	0,67	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HB*	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=	
T4	Gateau de céleri	PV3	Oui	+MA	+MA	+LA	+MA	<i>L.seeligeri</i>	+	6	0,00	-	8141	3,62	+	+HB	+HA	+MA	<i>L.seeligeri</i>	+	=	
T7	Poêlée méridionale	PV3	Non	+HB	+LB	+HB	+HB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	10711	2,73	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=	
U9	Poêlée de courgettes	PV3	Oui	-LE	+MB	-LE	+MC	<i>L.seeligeri</i>	+	-5	0,00	-	23	0,01	-	-ME	-LE	-ME	Ø	-	FN	
U10	Poêlée méridionale	PV3	Oui	Ø	-LE	-LE	-LE	/	-	-3	0,00	-	37	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
U11	Poêlée champêtre	PV3	Oui	-LE	-ME	-HE	-HE	/	-	-3	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	/	-	=	
U12	Purée Chou fleur - Brocolis	PV3	Non	+MA*	+MB*	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i>	+	8592	2,19	+	/	/	+ par défaut	/	+HB*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.welshimeri</i>	+	=	
V2	Poêlée catalane	PV3	Non	+LA	+LB	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	50	0,01	-	8213	2,87	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=	
V3	Poêlée méridionale	PV3	Oui	+LA	+LB	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	0	0,00	-	8562	3,00	+	+HA	+HB	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=	
V4	Poêlée champêtre	PV3	Oui	+LA	+LB	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	55	0,01	-	8414	2,94	+	+HA	+HB	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=	
V5	Poêlée de légumes	PV3	Oui	+MA	+LB	+HA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	1	0,00	-	8721	3,05	+	+MA	+HB	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=	
V6	Purée légumes	PV3	Oui	+LA	+LA(3)	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	50	0,01	-	8290	2,90	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=	
V7	Carottes cuites	PV3	Oui	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	-3	0,00	-	7743	2,71	+	+MA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=	

Environnement

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
F18	Eau Siphon de boucherie	EN1	Non	+LA	+LA	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	8612	2,30	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G19	Eaux usées	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
G20	Eau stagnante	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
G21	Eau machine à laver	EN1	Non	+LA	+LA*	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	6190	1,57	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
G22	Eau bac de rinçage	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	14	0,00	-	/	/	/	/	-	=
G23	Eau	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H7	Eau de rinçage final	EN1	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	8	0,00	-	7098	3,03	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.seeligeri</i>	+	PS
H8	Bain de rinçage	EN1	Oui	Ø	Ø	+LC	+MA	<i>L.seeligeri</i>	+	4	0,00	-	7477	3,19	+	+LB	+HC	+HA	<i>L.seeligeri</i>	+	=
H9	Bac lavage	EN1	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H10	Eau résiduelle	EN1	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H11	Eau rinçage doseuse	EN1	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H12	Eau stagnante local stockage	EN1	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	/	-	=
H13	Eau de rinçage doux	EN1	Oui	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	5	0,00	-	7485	3,20	+	+LB	+HB	+HA	<i>L.Innocua</i> <i>L.seeligeri</i>	+	PS
J10	Eau résiduelle atelier	EN1	Non	-LE	-LE	-ME	-ME	/	-	-3	0,00	-	29	0,01	-	/	/	/	/	-	=
J11	Eau résiduelle	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J12	Eau machine à laver	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J13	Eau machine à laver	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	25	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M27	Eau de rinçage	EN1	Oui	+MA	+LA	+MA*	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	8365	2,11	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB*	+HA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
M28	Eau bac de lavage	EN1	Oui	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	8015	2,02	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
M29	Flaque d'eau	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	34	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M30	Eau résiduelle	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	28	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M31	Eau stagnante bac stockage	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
M32	Eau sortie bac rinçage	EN1	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-2	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	/	-	=
M33	Eau au sol	EN1	Non	Ø	Ø	-LE	Ø	/	-	-4	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	/	-	=
O18	Eau sortie filtre bac rinçage	EN1	Oui	+LA	+LA	+MA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	7	0,00	-	7165	3,18	+	+MB	+MA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	=
O20	Eau tour de refroidissement	EN1	Non	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	6578	1,66	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=

Environnement

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
B28	Eponge dessus tapis pesée	EN2	Non	Ø	Ø	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7794	2,08	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C16	Eponge découpe poissons	EN2	Non	Ø	Ø	-LE	-LE	/	-	-5	0,00	-	34	0,01	-	/	/	/	/	-	=
C17	Eponge trancheur	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	25	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D21	Chiffonnette Machine à trancher fromage	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-5	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
D22	Chiffonnette couteau fromage	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	51	0,01	-	/	/	/	/	-	=
D23	Ecouvillon Ligne fabrication saucisse	EN2	Non	+HA	+HA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	6829	1,73	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
D24	Surface Découpe poisson	EN2	Non	-LE	-LE	-ME	-ME	/	-	-3	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F19	Surface Couteau à dent boucherie	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F20	Surface Plateau préparation viandes	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F21	Surface Machine à trancher	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	27	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F22	Surface Machine à trancher jambon	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F23	Surface Couteau charcuterie	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F24	Surface Broche à rôtir	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
F25	Surface Machine à trancher charcuterie	EN2	Non	+HA	+MA	+MA*	+MA*	<i>L.innocua</i>	+	-2	0,00	-	9958	3,63	+	+LA	+LA	+LA	<i>L.innocua</i>	+	=
G24	Ecouvillon rigole sol	EN2	Non	Ø	Ø	Ø	-LE	/	-	-2	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	/	-	=
G25	Surface couteau à fromage	EN2	Non	+LA	+LB	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7500	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
G26	Surface planche stand fromage	EN2	Non	Ø	-LE	Ø	Ø	/	-	-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
G27	Surface Couteau charcuterie	EN2	Non	Ø	-LE	-LE	-LE	/	-	20	0,00	-	7541	2,89	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.welshimeri</i>	+	PS
G28	Surface sol découpe poisson	EN2	Non	+MA	+MB	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	1974	0,50	+	/	/	+ par défaut	-ME	+MA	+LA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
H15	Surface sol local stockage	EN2	Oui	Ø	-LE	+LC	+MB	<i>L.seeligeri</i>	+	29	0,00	-	7120	3,04	+	+HA	+HB	+MB	<i>L.seeligeri</i>	+	=
H16	Surface Monte-charge sale	EN2	Oui	-LE	-LE	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	-3	0,00	-	7329	3,13	+	-LE	+HB	+MD	<i>L.innocua</i>	+	=
J1	Surface table inox atelier pâtisserie	EN2	Oui	Ø	Ø	-ME	-ME	/	-	14	0,00	-	8251	3,51	+	+HA	+HA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	PS
J2	Surface trancheuse atelier boucherie	EN2	Oui	Ø	Ø	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	12	0,00	-	7932	3,40	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
J3	Surface planche stand fromage	EN2	Oui	+LA	+LB	+MA*	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	10732	2,73	+	/	/	+ par défaut	+HA*	+HA*	+HB	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
J4	Couteau stand fromage	EN2	Oui	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	23	0,00	-	7926	3,38	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
J5	Lame couteau scie stand boucherie	EN2	Oui	+LA(3)	+LA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	9	0,00	-	8075	3,45	+	+HA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	=
J6	Surface surgélateur pâtisserie	EN2	Oui	+LA(2)	-LE	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	13	0,00	-	7773	3,32	+	+HA	+HA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
J7	Couteau stand fromage	EN2	Non	+HA*	+MA*	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	698	0,17	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
J8	Surface sol atelier boucherie	EN2	Oui	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	/	-	=
J9	Surface table à découper boucherie	EN2	Oui	Ø	Ø	-LE	Ø	/	-	-2	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
J30	Surface table inox atelier boucherie	EN2	Oui	Ø	Ø	-LE	-ME	/	-	-4	0,00	-	18	0,00	-	/	/	/	/	-	=
O1	Eponge surface stand pâtisserie	EN2	Non	+LA	+LA*	+HA	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7370	1,86	+	/	/	+ par défaut	+MA*	+HA*	+HA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
O3	Couteau stand charcuterie	EN2	Non	+LB	-ME	+HB	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	-4	0,00	-	20	0,00	-	Ø	-LE	-ME	/	-	FN
O4	Surface chambre froide viandes	EN2	Non	+LA	+LA*	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7977	2,01	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
O5	Ecouvillon ligne fabrication frites	EN2	Non	+MA	+MA	+HA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	7329	1,85	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
O11	Surface salle de refroidissement	EN2	Oui	+MA	+MA*	+HB	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	8807	2,22	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
O12	Sol chambre froide conditionnement	EN2	Oui	+MA	+MA*	+HA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	10279	2,59	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
O13	Surface étagère inox chambre froide	EN2	Oui	+LA	+LA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7105	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
O16	Surface trancheuse atelier charcuterie	EN2	Oui	-LE	-LE	-LE	-LE	/	-	4	0,00	-	22	0,00	-	Ø	-LE	-LE	/	-	=
O17	Surface chambre froide fromages	EN2	Oui	Ø	-LE	Ø	-ME	/	-	-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
O19	Surface chariot de transport	EN2	Oui	+MA	+LA	+HA	+HA	<i>L.innocua</i>	+	14	0,00	-	7172	3,18	+	+MA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
P9	Eponge tapis transfert	EN2	Non	+HA	+MB	+HB	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7155	1,80	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MB	+HA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P15	Table inox stand charcuterie	EN2	Oui	+HB	+MA	+HB	+MA	<i>L.innocua</i>	+	6	0,00	-	7257	3,22	+	+MA	+MA	+MA	<i>L.innocua</i>	+	=
P16	Evier zone fabrication	EN2	Oui	+MA	+HB	+MA	+HB	<i>L.innocua</i>	+	11	0,00	-	7124	3,16	+	+MA	+MA	+MB	<i>L.innocua</i>	+	=
P17	Ecouvillon joint sol - mur	EN2	Oui	+HA	+MB*	+HA*	+MB*	<i>L.innocua</i> <i>L.ivanovii</i>	+	6	0,00	-	7182	3,19	+	+MA	+MA*	+MB	<i>L.innocua</i> <i>L.ivanovii</i>	+	=
P18	Surface chariot zone fabrication	EN2	Oui	+HA	+MB	+HA	+MB	<i>L.ivanovii</i>	+	1	0,00	-	9721	4,31	+	+MA	+HA	+MB	<i>L.ivanovii</i>	+	=

Environnement

CODE	MATRICES	Cat.	CA	METHODE NF EN ISO 11290-1						Méthode LDUO											COMPARAISON
				FRASER 1/2		FRASER		CONFIRMATION		VIDAS LDUO				CONFIRMATION SUR ENRICHISSEMENT				RESULTAT FINAL			
				P1	OA1	P2	OA2	IDENTIF.	RESULTAT	RFV LMO	VT	RESULTAT TEST LMO	RFV LIS	VT	RESULTAT TEST LIS	PAL	RLM		OAA	IDENTIF.	
C14	Résidus ligne fabrication	EN3	Non	+MA	+MA	+MB	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	9830	2,63	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
C15	Résidus bacs sales	EN3	Non	+MA	+MA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7455	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
H14	Résidus filtre machine	EN3	Oui	+LA	+LA	+HA	+HA	<i>L.seeligeri</i>	+	82	0,02	-	6872	2,93	+	+HA	+HB	+MB	<i>L.seeligeri</i>	+	=
										148b	0,03	-	7200b	3,19	+						
										-1c	0,00	-	10706c	4,75	+						
I29	Résidus stand fromage	EN3	Non	Ø	-LE	-LE	-ME	/	-	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I30	Résidus stand fromage	EN3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-1	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I31	Résidus sol hall fabrication	EN3	Non	Ø	Ø	-LE	Ø	/	-	-7	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	/	-	=
I32	Sciure d'os	EN3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	3	0,00	-	9928	3,89	+	+MA	+HA	+MA	<i>L.welshimeri</i> <i>L.innocua</i>	+	PS
I43	Résidus Stand découpe	EN3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	6691	1,80	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MB	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	PS
Q2	Résidus poissonnerie	EN3	Non	Ø	Ø	Ø	Ø	/	-	-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	/	-	=
O6	Résidus bac stockage frites	EN3	Non	+MA	+MB	+HA*	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	7109	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA*	+MA	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
O7	Résidus planche à découper viandes	EN3	Non	+MA	+MA	+MA*	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	7368	1,86	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA*	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
O8	Résidus atelier conditionnement	EN3	Non	+MA	+MA	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	7372	1,86	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
O9	Résidus atelier découpe viandes	EN3	Non	+MA	+MA	+MA	+MA	<i>L.monocytogenes</i>	+	7273	1,83	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
O10	Résidus table inox atelier découpe	EN3	Oui	+MA	+MB*	+MB	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	2024	0,51	+	/	/	+ par défaut	+MB*	+HB*	+MB*	<i>L.monocytogenes</i> <i>L.innocua</i>	+	=
O14	Résidus évier atelier découpe	EN3	Oui	+MA	+MB	+MA	+LB	<i>L.monocytogenes</i>	+	47	0,01	-	1906	0,84	+	+LA	+LB	-LE	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
										1423a	0,35	+	/	/	+ par défaut						
O15	Résidus bac conditionnement	EN3	Oui	+MA	+MB	+MA	+LB	<i>L.monocytogenes</i>	+	4128	1,04	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P10	Résidus stand charcuterie	EN3	Non	-LE	-LE	-ME	-ME	/	-	-3	0,00	-	26	0,01	-	-LE	-ME	-ME	/	-	=
P11	Résidus stand poissons	EN3	Non	Ø	+LB	Ø	Ø	<i>L.monocytogenes</i>	+	7353	1,85	+	/	/	+ par défaut	-LE	+HA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P12	Plateau pesée poissons	EN3	Non	Ø	+LB	+MA	+MA*	<i>L.monocytogenes</i>	+	7188	1,81	+	/	/	+ par défaut	-LE	+MA	+MB	<i>L.monocytogenes</i>	+	=
P14	Résidus atelier fromage	EN3	Non	Ø	-LE	Ø	-LE	/	-	-3	0,00	-	26	0,01	-	Ø	-LE	Ø	/	-	=

Calcul de l'exactitude relative, de la sensibilité et de la spécificité relative de la méthode alternative
Réponse Listeria spp.

Matrices	Types	PA	NA	ND	PD	N	Exactitude relative AC (%) [100x(PA+NA)]/N]	LCL	N+ PA + ND	Sensibilité relative SE (%) [100xPA]/N+]	LCL	N- NA + PD	Spécificité relative SP (%) [100xNA]/N-]	LCL
Produits carnés	PC1 : crus	19	10	0	1	30								
	PC2 : assaisonnés, prêts à cuire	17	6	0	2	25								
	PC3 : charcuteries, plats cuisinés	29	19	3	1	52								
	Total	65	35	3	4	107	93,5	89,0	68	95,6	93,0	39	89,7	84,0
Produits laitiers	PL1 : fromages au lait de vache	18	16	1	3	38								
	PL2 : fromages au lait de chèvre ou de brebis	9	10	0	1	20								
	PL3 : desserts, poudres de lait	11	8	2	2	23								
	PL4 : laits crus	5	8	0	2	15								
	Total	43	42	3	8	96	88,5	84,0	46	93,5	89,0	50	84,0	79,0
Produits de la pêche	PP1 : filets de poissons frais et crustacés	18	18	3	3	42								
	PP2 : poissons fumés	14	7	1	3	25								
	PP3 : plats cuisinés à base de poisson	7	6	0	1	14								
	Total	39	31	4	7	81	86,4	80,0	43	90,7	84,0	38	81,6	75,0
Produits végétaux	PV1 : surgelés	17	7	0	0	24								
	PV2 : frais ou 4ème gamme	11	25	3	1	40								
	PV3 : assaisonnés	20	5	1	0	26								
	Total	48	37	4	1	90	94,4	89,0	52	92,3	87,0	38	97,4	94,0
Environnement	EN1 : eaux de process	7	17	0	2	26								
	EN2 : prélèvements de surface	25	18	1	2	46								
	EN3 : résidus	12	6	0	2	20								
	Total	44	41	1	6	92	92,4	88,0	45	97,8	95,0	47	87,2	81,0
TOTAL		239	186	15	26	466	91,2		254	94,1		212	87,7	

PA = Accord positif (R+/A+)
NA = Accord négatif (R-/A-)
PD = déviation positive (R-/A+)
ND = déviation négative (A-/R+)

Calcul de l'exactitude relative, de la sensibilité et de la spécificité relative de la méthode alternative
Réponse Listeria monocytogenes

Matrices	Types	PA	NA	ND	PD	N	Exactitude relative AC (%) [100x(PA+NA)/N]	LCL	N+ PA + ND	Sensibilité relative SE (%) [100xPA/N+]	LCL	N- NA + PD	Spécificité relative SP (%) [100xNA/N-]	LCL
Produits carnés	PC1 : crus	11	10	1	2	24								
	PC2 : assaisonnés, prêts à cuire	15	6	0	1	22								
	PC3 : charcuteries, plats cuisinés	15	19	1	2	37								
	Total	41	35	2	5	83	91,6	88,0	43	95,3	90,0	40	87,5	84,0
Produits laitiers	PL1 : fromages au lait de vache	13	16	0	0	29								
	PL2 : fromages au lait de chèvre ou de brebis	7	10	0	2	19								
	PL3 : desserts, poudres de lait	6	8	0	0	14								
	PL4 : laits crus	1	8	0	2	11								
Total	27	42	0	4	73	94,5	89,0	27	100,0	98,0	46	91,3	85,0	
Produits de la pêche	PP1 : filets de poissons frais et crustacés	10	18	0	3	31								
	PP2 : poissons fumés	14	7	0	2	23								
	PP3 : plats cuisinés à base de poisson	5	6	0	0	11								
	Total	29	31	0	5	65	92,3	88,0	29	100,0	98,0	36	86,1	82,0
Produits végétaux	PV1 : surgelés	13	7	0	1	21								
	PV2 : frais ou 4ème gamme	5	25	3	0	33								
	PV3 : assaisonnés	12	5	0	0	17								
	Total	30	37	3	1	71	94,4	89,0	33	90,9	82,0	38	97,4	93,0
Environnement	EN1 : eaux de process	5	17	0	0	22								
	EN2 : prélèvements de surface	13	18	1	0	32								
	EN3 : résidus	10	6	1	1	18								
	Total	28	41	2	1	72	95,8	93,0	30	93,3	86,0	42	97,6	94,0
TOTAL		155	186	7	16	364	93,7		162	95,7		202	92,1	

PA = Accord positif (R+/A+)

NA = Accord négatif (R-/A-)

PD = déviation positive (R-/A+)

ND = déviation négative (A-/R+)

**Calcul de l'exactitude relative, de la sensibilité et de la spécificité relative de la méthode alternative
Réponse Listeria monocytogenes**

Matrices	Types	PA	NA	ND	PD	N	Exactitude relative AC (%) [100x(PA+NA)]/N]	LCL	N+ PA + ND	Sensibilité relative SE (%) [100xPA]/N+]	LCL	N- NA + PD	Spécificité relative SP (%) [100xNA]/N-]	LCL
Produits carnés	PC1 : crus	11	16	1	2	30								
	PC2 : assaisonnés, prêts à cuire	15	9	0	1	25								
	PC3 : charcuteries, plats cuisinés	15	34	1	2	52								
	Total	41	59	2	5	107	93,5	88,0	43	95,3	90,0	64	92,2	88,0
Produits laitiers	PL1 : fromages au lait de vache	13	25	0	0	38								
	PL2 : fromages au lait de chèvre ou de brebis	7	11	0	2	20								
	PL3 : desserts, poudres de lait	6	17	0	0	23								
	PL4 : laits crus	1	12	0	2	15								
	Total	27	65	0	4	96	95,8	93,0	27	100,0	98,0	69	94,2	89,0
Produits de la pêche	PP1 : filets de poissons frais et crustacés	10	29	0	3	42								
	PP2 : poissons fumés	14	9	0	2	25								
	PP3 : plats cuisinés à base de poisson	5	9	0	0	14								
	Total	29	47	0	5	81	93,8	89,0	29	100,0	98,0	52	90,4	83,0
Produits végétaux	PV1 : surgelés	13	10	0	1	24								
	PV2 : frais ou 4ème gamme	5	32	3	0	40								
	PV3 : assaisonnés	12	14	0	0	26								
	Total	30	56	3	1	90	95,6	91,0	33	90,9	82,0	57	98,2	96,0
Environnement	EN1 : eaux de process	5	21	0	0	26								
	EN2 : prélèvements de surface	13	32	1	0	46								
	EN3 : résidus	10	8	1	1	20								
	Total	28	61	2	1	92	96,7	94,0	30	93,3	86,0	62	98,4	96,0
TOTAL		155	288	7	16	466	95,1		162	95,7		304	94,7	

PA = Accord positif (R+/A+)

NA = Accord négatif (R-/A-)

PD = déviation positive (R-/A+)

ND = déviation négative (A-/R+)

ANNEXE 3 :

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

-

TABLEAUX DE RESULTATS

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

Lait cru (L.mono)

CONTAMINE AVEC *Listeria monocytogenes* 1/2b

72 000 UFC/ml

Niveau de contamination	Niveau obtenu (b/25g)	Méthode de référence						Méthode alternative VIDAS LDUO										
		Fraser 1/2 (10µl)		Fraser		Résultat	Conclusion	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolements sur			Résultat	Conclusion
		P1	OAA1	P2	OAA2									PAL	OAA	RLM		
1	0	Ø	-LE	Ø	-LE	-	0/6	-5	0,00	15	0	0,01	-	/	/	/	-	0/6
		Ø	-LE	Ø	-LE	-		-2	0,00	15	0	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	-LE	Ø	-LE	-		-4	0,00	15	0	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	-LE	Ø	-LE	-		1	0,00	-	28	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	-ME	-		-1	0,00	-	39	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	-	
2	0,41	Ø	-LE	Ø	-ME	-	2/6	-4	0,00	-	17	0,00	+ par défaut	/	/	/	-	1/6
		+LA	+LB	+HA	+HB	+		-5	0,00	-	14	0,00	+ par défaut	/	/	/	-	
		Ø	-LE	Ø	-LE	-		-6	0,00	-	13	0,00	+ par défaut	/	/	/	-	
		+LA	+LB	+HA	+HB	+		7466	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		Ø	-LE	Ø	-ME	-		-5	0,00	-	12	0,00	+ par défaut	/	/	/	-	
		Ø	-LE	Ø	-LE	-		-9	0,00	-	12	0,00	+ par défaut	/	/	/	-	
3	0,68	+LA	+LB	+HA	+HB	+	3/6	-3	0,00	-	16	0,00	-	/	/	/	-	3/6
		Ø	-LE	Ø	-ME	-		7778	2,01	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+LA	+LB	+HA	+HB	+		10113	2,61	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HB	+	
		Ø	-LE	Ø	-ME	-		-5	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LB	+HA	+HB	+		6930	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		Ø	-LE	Ø	-HE	-		-6	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	
4	0,95	+LA	+LB	+HA	+HB	+	6/6	9168	2,37	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	5/6
		+LA	+MB	+HA	+HB	+		6926	1,79	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+MA	+MB	+HA	+HB	+		6780	1,75	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	HA	+	
		+LA	+MB	+HA	+HB	+		-7	0,00	-	13	0,00	-	/	/	/	-	
		+MA	+MB	+HA	+HB	+		6869	1,77	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+MA	+MB	+HA	+HB	+		7017	1,81	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HB	+	
5	1,12	+LA	+MB	+HA	+HB	+	6/6	6803	1,76	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	6/6
		+LA	+MB	+HB	+HB	+		7367	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+MA	+MB	+HA	+HB	+		7699	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+LA	+MB	+HB	+HB	+		6989	1,80	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+MA	+MB	+HB	+HB	+		6595	1,70	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+LA	+MB	+HB	+HB	+		6435	1,66	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	

ALT	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,575	0,400	0,850

REF	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,475	0,300	0,775

Charge bactérienne

L = légère

M = moyenne

H = élevée

Répartition de la flore

A = culture pure de colonies suspectes

B = mélange avec une majorité de colonies suspectes

C = mélange avec une minorité de colonies suspectes

D = mélange avec de rares colonies suspectes

E = absence de colonies suspectes

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

Lait cru (L.spp)

CONTAMINE AVEC *Listeria innocua*

5 800 000 UFC/ml et *280 000 UFC/ml

Niveau de contamination	Niveau obtenu (b/25g)	Méthode de référence						Méthode alternative VIDAS LDUO										
		Fraser 1/2 (10µl)		Fraser		Résultat	Conclusion	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolements sur			Résultat	Conclusion
		P1	OAA1	P2	OAA2									PAL	OAA	RLM		
1	0	Ø	-LE	Ø	-LE	-	-	-2	0,00	-	36	0,01	-	/	/	/	-	0/6
		Ø	-LE	Ø	-LE	-	-	-2	0,00	-	45	0,02	-	/	/	/	-	
		Ø	-LE	Ø	-LE	-	-	-1	0,00	-	29	0,01	-	/	/	/	-	
		-LE	-LE	Ø	-ME	-	-	-2	0,00	-	28	0,01	-	/	/	/	-	
		-LE	-LE	Ø	-LE	-	-	-3	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	-	
		-LE	-LE	-ME	-LE	-	-	-3	0,00	-	30	0,01	-	/	/	/	-	
2	0,54	Ø	-LE	-LE	-LE	-	-	-2	0,00	-	29	0,01	-	/	/	/	-	1/6
		Ø	-LE	Ø	-LE	-	-	-3	0,00	-	27	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	-ME	Ø	-	-	-	17	0,00	-	7852	3,49	+	/	+HA	+HA	+	
		+MB	+MB	+HA	+HB	+	+	-2	0,00	-	30	0,01	-	/	/	/	-	
		-LE	-LE	-ME	-LE	-	-	-1	0,00	-	31	0,01	-	/	/	/	-	
		-LE	-LE	Ø	-LE	-	-	0	0,00	-	34	0,01	-	/	/	/	-	
3	1,44	Ø	-LE	Ø	-LE	-	-	7	0,00	-	7178	3,19	+	/	+HB	+HA	+	2/6
		Ø	-LE	-ME	-ME	-	-	-4	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	-	
		+MB	+MB	+HA	+HB	+	+	-3	0,00	-	36	0,01	-	/	/	/	-	
		+MB	+MB	+HA	+HB	+	+	7	0,00	-	7073	3,14	+	/	+HA	+HA	+	
		+MB	+MB	+HA	+HB	+	+	-2	0,00	-	29	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	-LE	-	-	-3	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	-	
4	2,52	Ø	-LE	Ø	-LE	-	-	6	0,00	-	7428	3,30	+	/	+HB	+HA	+	3/6
		+MB	+MB	+HB	+MB	+	+	7	0,00	-	7345	3,27	+	/	+HB	+HA	+	
		Ø	-ME	-LE	-LE	-	-	6	0,00	-	7487	3,33	+	/	+HA	+HA	+	
		Ø	Ø	Ø	-LE	-	-	-2	0,00	-	25	0,01	-	/	/	/	-	
		+MB	+MB	+HA	+HB	+	+	-2	0,00	-	29	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	-LE	-	-	0	0,00	-	30	0,01	-	/	/	/	-	
5*	2,90	+MA	+MA	+HA	+MA	+	+	92	0,02	-	7940	2,65	+	+HA	+HA	+HA	+	6/6
		+MA	+MA	+HA	+MA	+	+	52	0,01	-	8456	2,82	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+MA	+	+	87	0,02	-	8242	2,75	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+MA	+MA	+	+	84	0,02	-	7722	2,57	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+MA	+	+	112	0,03	-	7621	2,54	+	+HA	+MA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+MA	+	+	36	0,01	-	8078	2,69	+	+HA	+HA	+HA	+	

ALT	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	1,300	0,700	2,450

REF	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	1,400	0,800	2,500

Charge bactérienne
L = légère
M = moyenne
H = élevée

Répartition de la flore
A = culture pure de colonies suspectes
B = mélange avec une majorité de colonies suspectes
C = mélange avec une minorité de colonies suspectes
D = mélange avec de rares colonies suspectes
E = absence de colonies suspectes

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

Rillettes

CONTAMINEES AVEC *L.welshimeri*

1 000 000 UFC/g , *400 UFC/g et **80 UFC/g, ***430 UFC/g

Niveau de contamination	Niveau obtenu (b/25g)	Méthode de référence						Méthode alternative VIDAS LDUO										
		Fraser 1/2 (10µl)		Fraser		Résultat	Conclusion	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolements sur			Résultat	Conclusion
		P1	OAA1	P2	OAA2									PAL	OAA	RLM		
1	0	Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-5	0,00	-	24	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		26	0,00	-	25	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		30	0,00	-	28	0,01	-	/	/	/	-	
2**	0,56	+MA	+MA	+HA	+HA	+		-4	0,00	-	24	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	-LE	Ø	Ø	-		128	0,03	-	6505	2,89	+	+HA	+HA	+HA	+	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		78	0,01	-	6783	3,02	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		-3	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		70	0,01	-	6893	3,06	+	+HA	+HA	+HA	+	
3*	0,74	+LA	+LA	+HA	+HA	+		71	0,01	-	7010	2,99	+	+HA	+MA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		65	0,01	-	7083	3,02	+	+HA	+HA	+HB	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		-4	0,00	-	57	0,02	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	26	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		37	0,00	-	7069	3,02	+	+HA	+MA	+HA	+	
4***	1,68	+MA	+MA	+HA	+HA	+		60	0,01	-	6774	2,97	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		30	0,00	-	7004	3,07	+	+HA	+HA	+HA	+	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		38	0,00	-	6965	3,05	+	+HA	+HB	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		-3	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
		+MA	+MA	+HA	+MA	+		46	0,01	-	6968	3,05	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		55	0,01	-	6873	3,01	+	+HA	+HA	+HA	+	
5*	2,22	Ø	Ø	Ø	Ø	-		17	0,00	-	7638	3,26	+	+HA	+HA	+HB	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		63	0,01	-	7721	3,30	+	+HA	+MA	+HA	+	
		+LA	+MA	+HA	+MA	+		78	0,01	-	7607	3,25	+	+HA	+MA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		23	0,00	-	7736	3,30	+	+HA	+MA	+HB	+	
		+MA	+MA	+MA	+HA	+		25	0,00	-	7808	3,33	+	+MA	+MA	+MB	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		116	0,02	-	7287	3,11	+	+HA	+HA	+HA	+	
6**	2,24	+MA	+MA	+HA	+HA	+		68	0,01	-	7090	3,15	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		11	0,00	-	7230	3,21	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+HA	+HA	+HA	+HA	+		62	0,01	-	7082	3,15	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		27	0,00	-	7838	3,48	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		43	0,01	-	7830	3,48	+	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		49	0,01	-	7593	3,38	+	+HA	+HA	+HA	+	

ALT	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,575	0,325	1,000

REF	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,525	0,300	0,925

Charge bactérienne

L = légère
M = moyenne
H = élevée

Répartition de la flore

A = culture pure de colonies suspectes
B = mélange avec une majorité de colonies suspectes
C = mélange avec une minorité de colonies suspectes
D = mélange avec de rares colonies suspectes
E = absence de colonies suspectes

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

Saumon fumé

CONTAMINE AVEC *Listeria monocytogenes* 1/2a

8 500 UFC/g

Niveau de contamination	Niveau obtenu (b/25g)	Méthode de référence						Méthode alternative VIDAS LDUO										
		Fraser 1/2 (10µl)		Fraser		Résultat	Conclusion	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolements sur			Résultat	Conclusion
		P1	OAA1	P2	OAA2									PAL	OAA	RLM		
1	0	Ø	Ø	Ø	Ø	-	0/6	-6	0,00	-	13	0,00	-	/	/	/	-	0/6
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		2	0,00	-	16	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-6	0,00	-	13	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	15	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-7	0,00	-	14	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-6	0,00	-	12	0,00	-	/	/	/	-	
2	0,30	Ø	Ø	Ø	-LE	-	1/6	-5	0,00	-	13	0,00	-	/	/	/	-	1/6
		+LA	+LB	+HA	+HA	+		7127	1,84	-	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-6	0,00	-	12	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	14	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	-ME	-		-7	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	-	
4	1,24	Ø	Ø	Ø	Ø	-	4/6	-5	0,00	-	10	0,00	-	/	/	/	-	4/6
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		8035	2,08	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		8007	2,07	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		-4	0,00	-	14	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		7536	1,95	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		-5	0,00	-	13	0,00	-	/	/	/	-	
6	2,63	Ø	Ø	Ø	Ø	-	6/6	7909	2,04	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		7420	1,92	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		7847	2,03	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		7515	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		6838	1,77	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		6999	1,81	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
+MA	+MA	+HA	+HA	+	6977	1,80	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+				

ALT	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,700	0,375	1,325

REF	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,700	0,375	1,325

Charge bactérienne

L = légère

M = moyenne

H = élevée

Répartition de la flore

A = culture pure de colonies suspectes

B = mélange avec une majorité de colonies suspectes

C = mélange avec une minorité de colonies suspectes

D = mélange avec de rares colonies suspectes

E = absence de colonies suspectes

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

Chou rouge

CONTAMINE AVEC *Listeria monocytogenes* 4b
40 000 000 UFC/g

Niveau de contamination	Niveau obtenu (b/25g)	Méthode de référence						Méthode alternative VIDAS LDUO										
		Fraser 1/2 (10µl)		Fraser		Résultat	Conclusion	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolements sur			Résultat	Conclusion
		P1	OAA1	P2	OAA2									PAL	OAA	RLM		
1	0	∅	∅	∅	∅	-	0/6	-3	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	-	0/6
		∅	∅	∅	∅	-		-2	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
		∅	-LE	∅	-LE	-		-3	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
		-LE	∅	∅	∅	-		-3	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	
		∅	∅	∅	∅	-		-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		∅	∅	∅	-LE	-		-4	0,00	-	17	0,00	-	/	/	/	-	
2	0,26	+LA	+LA	+MA	+MA	+	3/6	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	2/6
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		-3	0,00	-	16	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		2602	0,66	+	/	/	+ par défaut	+MA	+HA	+MA	+	
		∅	∅	∅	-LE	-		2759	0,69	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+HA	+	
		∅	∅	∅	∅	-		-3	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	-	
		∅	∅	∅	∅	-		-3	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	
3	0,52	∅	∅	∅	∅	-	2/6	-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	4/6
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
		∅	∅	∅	∅	-		5711	1,44	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		3599	0,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		∅	∅	∅	∅	-		6368	1,61	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+HA	+	
		∅	∅	∅	∅	-		3228	0,81	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MB	+HA	+	
4	1,01	+LA	-LE	+HA	+HA	+	4/6	9274	2,38	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	4/6
		-LE	∅	∅	∅	-		9009	2,32	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		∅	+LA	+HA	+MA	+		10136	2,61	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HB	+	
		∅	+LB	+HA	+MA	+		9538	2,45	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		∅	∅	∅	∅	-		-3	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		∅	∅	+MA	+MA	+		-3	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	-	
5	1,52	+LA	+LB	+MA	+MA	+	4/6	9893	2,54	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+HA	+	6/6
		+LA	+LB	+MA	+MA	+		8776	2,26	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HB	+HB	+	
		+LA	-LE	+MA	+MA	+		8344	2,14	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HB	+	
		∅	∅	∅	∅	-		9033	2,32	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+HA	+	
		∅	-LE	∅	∅	-		8527	2,19	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HB	+	
		+LA	+LB	+HA	+MA	+		8384	2,16	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
6	3,04	+LA	+LB	+HA	+MA	+	6/6	7592	1,95	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HB	+	6/6
		+LA	+LB	+MA	+MA	+		7524	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LB	+HA	+MA	+		8323	2,14	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HB	+HA	+	
		+LA	+LA	+MA	+HA	+		7898	2,03	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		∅	+LB	+HA	+MA	+		9279	2,39	+	/	/	+ par défaut	+HB	+HA	+HB	+	
		+LA	+LB	+HA	+HA	+		7684	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	

ALT	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,425	0,250	0,700

REF	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,525	0,275	0,950

Charge bactérienne

L = légère

M = moyenne

H = élevée

Répartition de la flore

A = culture pure de colonies suspectes

B = mélange avec une majorité de colonies suspectes

C = mélange avec une minorité de colonies suspectes

D = mélange avec de rares colonies suspectes

E = absence de colonies suspectes

NIVEAU DE DETECTION RELATIF

Eau de process

CONTAMINEE AVEC *Listeria monocytogenes* 1/2c

1 100 UFC/ml et *1 300 UFC/ml

Niveau de contamination	Niveau obtenu (b/25g)	Méthode de référence						Méthode alternative VIDAS LDUO										
		Fraser 1/2 (10µl)		Fraser		Résultat	Conclusion	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolements sur			Résultat	Conclusion
		P1	OAA1	P2	OAA2									PAL	OAA	RLM		
1	0	Ø	Ø	Ø	Ø	-	0/6	-3	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	0/6
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-2	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	19	0,00	-	/	/	/	-	
2*	0,46	Ø	Ø	Ø	Ø	-	0/6	-3	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	-	1/6
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	23	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-3	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		7504	1,91	+	/	/	+ par défaut	/	+HA	+HA	+	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-5	0,00	-	32	0,01	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-5	0,00	-	20	0,00	-	/	/	/	-	
3	0,57	+LA	+LA	+HA	+HA	+	4/6	7517	1,92	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	3/6
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		Ø	Ø	Ø	Ø	-		-5	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LA	+MA	+HA	+		7452	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		-5	0,00	-	23	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		7441	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
4	1,52	+LA	+LA	+HA	+HA	+	6/6	6849	1,74	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	4/6
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		6713	1,71	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+MA	+		6685	1,71	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		-4	0,00	-	21	0,00	-	/	/	/	-	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		6576	1,68	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		-4	0,00	-	22	0,00	-	/	/	/	-	
5	2,66	+LA	+LA	+HA	+HA	+	6/6	6713	1,71	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	6/6
		+MA	+MA	+HA	+HA	+		6835	1,74	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+HA	+		6686	1,70	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+MA	+MA	+HA	+MA	+		6780	1,73	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		6876	1,75	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	
		+LA	+LA	+HA	+MA	+		6762	1,72	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA	+	

ALT	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,775	0,450	1,300

REF	Valeur	Limite inf	Limite sup
LOD 50	0,625	0,500	0,800

Charge bactérienne

L = légère
M = moyenne
H = élevée

Répartition de la flore

A = culture pure de colonies suspectes
B = mélange avec une majorité de colonies suspectes
C = mélange avec une minorité de colonies suspectes
D = mélange avec de rares colonies suspectes
E = absence de colonies suspectes

ANNEXE 4 :

ETUDES D'INCLUSIVITE ET D'EXCLUSIVITE

-

TABLEAUX DE RESULTATS

Inclusivité

Référence	Souche	Origine	Taux d'inoculation dans 225 mL de	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolement sur		
										Palcam	OAA	RLM
L4	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	ATCC 35152	3,6	7818	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L5	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Lardons de saumon fumé	3,6	8122	2,05	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L6	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Pizza	4,4	7908	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L7	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Munster	5,0	7533	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L10	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Rillettes	3,7	7707	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L11	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Munster	4,6	7594	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L12	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Saumon fumé	5,0	7746	1,95	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L40	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Munster	3,8	7496	1,89	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+HA
L42	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Escalope de poulet	4,2	7765	1,96	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L43	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Viande hachée	5,0	7674	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L44	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Saucisson	0,9	7659	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L45	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Terrine de lapin	1,1	8004	2,02	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L47	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Pommes rissolées	5,5	7355	1,85	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L116	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Coquille de poisson	3,6	7431	1,87	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA
L128	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Tourteau de soja	5,7	7534	1,94	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L129	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2a	Pommes rissolées	6,0	7660	1,97	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA
L37	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2b	Maroilles au lait cru	3,8	7780	1,96	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L49	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2b	Crème de foie de volaille	3,8	6823	1,72	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L51	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2b	Fromage affiné	3,0	6665	1,68	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L14	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Viande hachée	4,4	7986	2,01	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L15	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Bœuf	4,0	7634	1,92	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+HA
L16	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Viande hachée	4,5	7496	1,89	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+HA
L17	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Poitrine de porc	5,6	7432	1,87	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L18	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Munster	6,1	7561	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L53	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Steak haché	3,9	7730	1,95	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+HA
L54	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Bœuf bourguignon	5,6	7579	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L117	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2c	Saucisse de Montbéliard	3,8	7490	1,89	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L20	<i>Listeria monocytogenes</i> 1/2	Brisures de saumon	4,4	7489	1,89	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA
L55	<i>Listeria monocytogenes</i> 3b	SLCC 2540	6,2	7418	1,87	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L56	<i>Listeria monocytogenes</i> 3c	SLCC 2479	6,2	7396	1,86	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L57	<i>Listeria monocytogenes</i> 4a	ATCC 19114	5,4	5423	1,36	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L32	<i>Listeria monocytogenes</i> 4b	Munster	5,2	7784	1,96	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L33	<i>Listeria monocytogenes</i> 4b	ATCC 19115	3,4	9504	2,39	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L58	<i>Listeria monocytogenes</i> 4b	Salade	5,5	7916	1,99	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L138	<i>Listeria monocytogenes</i> 4b	Collection	5,0	7823	2,01	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA
L60	<i>Listeria monocytogenes</i> 4d	ATCC	4,3	9104	2,29	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L61	<i>Listeria monocytogenes</i> 4e	ATCC 19118	5,2	5964	1,50	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L62	<i>Listeria monocytogenes</i> 4e	Reblochon	4,2	7649	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L63	<i>Listeria monocytogenes</i> 4e	Munster	4,0	7647	1,93	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L67	<i>Listeria monocytogenes</i> 7	SLCC 2482	3,0	9822	2,47	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L119	<i>Listeria monocytogenes</i>	Epinards	4,2	7228	1,82	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L123	<i>Listeria monocytogenes</i>	Mozzarella	3,1	7587	1,91	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L124	<i>Listeria monocytogenes</i>	Filet de perche	2,9	7404	1,86	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L125	<i>Listeria monocytogenes</i>	Légumes poêlés	4,4	7557	1,90	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L137	<i>Listeria monocytogenes</i>	Coulommiers au lait cru	8,5	7641	1,96	+	/	/	+ par défaut	+HA	+HA	+HA
L141	<i>Listeria monocytogenes</i>	Prélèvement environnement	5,5	7703	1,98	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA
L149	<i>Listeria monocytogenes</i>	Prélèvement environnement	0,9	9351	2,36	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA
L152	<i>Listeria monocytogenes</i>	Prélèvement environnement	4,0	7737	1,95	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+MA
L69	<i>Listeria monocytogenes</i>	Saucisson	3,3	7756	1,95	+	/	/	+ par défaut	+HA	+MA	+MA
L70	<i>Listeria monocytogenes</i>	Saumon fumé	3,7	7775	1,96	+	/	/	+ par défaut	+MA	+MA	+HA

Inclusivité

Référence	Souche	Origine	Taux d'inoculation dans 225 mL de	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS	Isolement sur			Méthode de référence				Isolement du bouillon LX 225ml
										Palcam	OAA	RLM					
L3	<i>Listeria innocua</i>	Foie de génisse	20,0	7	0,00	-	8106	3,55	+	+HA	+HA	+HA					
L1	<i>Listeria innocua</i>	ATCC 33090	9,0	6	0,00	-	7354	3,27	+	+HA	+HA	+HA					
L64	<i>Listeria innocua</i>	Epoisses	3,5	8	0,00	-	7742	3,43	+	+HA	+MA	+HA					
L66	<i>Listeria innocua</i>	Epinards	4,1	10	0,00	-	7998	3,50	+	+MA	+MA	+MA					
L71	<i>Listeria innocua</i>	Munster	4,0	9	0,00	-	7934	3,48	+	+HA	+MA	+HA					
L72	<i>Listeria innocua</i>	Boulette d'Avesnes	4,3	6	0,00	-	7681	3,41	+	+HA	+MA	+HA					
L76	<i>Listeria innocua 6b</i>	Steak haché	2,9	9	0,00	-	7737	3,39	+	+MA	+MA	+MA					
L77	<i>Listeria innocua 6a</i>	Saucisse de Toulouse	2,5	6	0,00	-	7747	3,44	+	+HA	+HA	+HA					
L78	<i>Listeria innocua</i>	Coquelet	3,5	8	0,00	-	7657	3,40	+	+HA	+MA	+MA					
L108	<i>Listeria innocua</i>	Gorgonzola	3,0	8	0,00	-	7921	3,47	+	+HA	+HA	+HA					
L110	<i>Listeria innocua</i>	Epoisses	4,0	5	0,00	-	7532	3,23	+	+HA	+HA	+HA					
L113	<i>Listeria innocua</i>	Flétan fumé	6,6	4	0,00	-	7857	3,37	+	+HA	+HA	+HA					
L80	<i>Listeria ivanovii</i>	Collection ATCC	21,0	-3	0,00	-	101461	4,49	+	+HA	+HA	+HA					
L133	<i>Listeria ivanovii</i>	Roquefort	3,5	9	0,00	-	8675	3,80	+	+HA	+MA	+MA					
L151	<i>Listeria ivanovii</i>	Pavé de bœuf haché	2,9	4	0,00	-	9565	4,19	+	+HA	+MA	+HA					
L153	<i>Listeria ivanovii</i>	Prélèvement environnement	4,0	6	0,00	-	8672	3,80	+	+HA	+MA	+HA					
L86	<i>Listeria welshimeri 6b</i>	Collection ATCC 35897	5,0	2	0,00	-	10712	4,70	+	+HA	+MA	+MA					
L87	<i>Listeria welshimeri</i>	Steak haché	6,5	13	0,00	-	7050	3,09	+	+HA	+MA	+HA					
L89	<i>Listeria welshimeri 6a</i>	Steak haché	7,4	5	0,00	-	7511	3,22	+	+HA	+HA	+HA					
L91	<i>Listeria welshimeri</i>	Rosette	5,0	8	0,00	-	8180	3,58	+	+HA	+MA	+MA					
L100	<i>Listeria welshimeri</i>	Pâté à tartiner	10,0	6	0,00	-	8452	3,63	+	+HA	+HA	+HA					
L101	<i>Listeria welshimeri</i>	Jambon à l'ancienne	6,6	5	0,00	-	7439	3,19	+	+HA	+HA	+HA					
L83	<i>Listeria seeligeri 1/2b</i>	Langue de porc en gelée	4,4	7	0,00	-	7811	3,42	+	+HA	+MA	+HA					
L84	<i>Listeria seeligeri</i>	Steak haché	2,6	8	0,00	-	7720	3,38	+	+MA	+MA	+HA					
L85	<i>Listeria seeligeri</i>	Collection	1,5	7	0,00	-	8195	3,59	+	+HA	+HA	+HA					
L115	<i>Listeria seeligeri</i>	Eau sale	5,0	7	0,00	-	8163	3,58	+	+HA	+MA	+MA					
L142	<i>Listeria seeligeri</i>	Fromage au lait cru (Vinage)	2,5	6	0,00	-	7696	3,37	+	Ø	+LA	+LA					
L81	<i>Listeria grayi</i>	Collection ATCC 19120	8,0	-4	0,00	-	7129	3,17	+	+HA	+LA	+LA					
L146	<i>Listeria grayi</i>	Collection ATCC 25401	2,7	14	0,00	-	75	0,03	-	Ø	Ø	Ø	P1	OA1	P2	OA2	
			6,0	-5	0,00	-	25	0,01	-	Ø	Ø	Ø	Ø	Ø	Ø	Ø	
			1,0E+05	6	0,00	-	7400	3,18	+	+HA	+HA	+HA	+LA	+LA	+HA	+HA	+MA
L147	<i>Listeria grayi</i>	Collection CIP 103213	6,0	-6	0,00	-	21	0,00	-	Ø	Ø	Ø	Ø	Ø	Ø	Ø	
			1,0E+05	5	0,00	-	7637	3,28	+	+HA	+HA	+HA	Ø	+MA	+HA	+HA	+LA

Exclusivité

Référence	Souche	Origine	Taux d'inoculation dans 225mL de bouillon nutritif non sélectif (UFC)	RFV LMO	VT	Résultat Test LMO	RFV LIS	VT	Résultat Test LIS
BA5	<i>Bacillus sphaericus</i>	Produit carné	6,70E+05	-4	0,00	-	26	0,01	-
BA2	<i>Bacillus cereus</i>	Betteraves	7,20E+05	-5	0,00	-	39	0,01	-
BA4	<i>Bacillus stearothermophilus</i>	Produit laitier	2,40E+05	-5	0,00	-	29	0,01	-
BA7	<i>Bacillus coagulans</i>	Collection	2,40E+05	-5	0,00	-	35	0,01	-
15	<i>Brochotrix thermosphacta</i>	Viande hachée	6,00E+03	-4	0,00	-	26	0,01	-
Le1	<i>Rhodotorula rubra</i>	Pâtisserie	3,00E+05	-5	0,00	-	32	0,01	-
Le3	<i>Candida albicans</i>	Collection	3,00E+05	-7	0,00	-	25	0,01	-
Le5	<i>Saccharomyces cerevisiae</i>	Extrait de café	3,00E+05	-4	0,00	-	22	0,00	-
E1	<i>Enterococcus faecalis</i>	Ovoproduit	4,80E+05	-4	0,00	-	31	0,01	-
E6	<i>Enterococcus faecalis</i>	Collection ATCC 19433	5,40E+05	-3	0,00	-	24	0,01	-
E2	<i>Enterococcus faecium</i>	Collection ATCC 3286	3,00E+05	-6	0,00	-	28	0,01	-
E7	<i>Enterococcus faecium</i>	Collection CIP 5433	2,00E+05	-4	0,00	-	26	0,01	-
EN18	<i>Enterobacter cloacae</i>	Collection	2,00E+05	-6	0,00	-	27	0,01	-
EN63	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	Céleri	2,00E+05	-4	0,00	-	29	0,01	-
EN71	<i>Klebsiella oxytoca</i>	Lait	2,60E+05	-5	0,00	-	30	0,01	-
EN49	<i>Serratia marcescens</i>	Lait cru	3,00E+05	-5	0,00	-	34	0,01	-
L139	<i>Jonesia denitrificans</i>	Collection	4,00E+05	-5	0,00	-	30	0,01	-
Lb1	<i>Lactobacillus acidophilus</i>	Produit laitier	4,00E+05	-2	0,00	-	26	0,01	-
Lb2	<i>Lactobacillus casei</i>	Produit laitier	6,00E+04	-5	0,00	-	20	0,00	-
Lb3	<i>Lactobacillus plantarum</i>	Produit laitier	5,00E+05	-5	0,00	-	24	0,01	-
Lb4	<i>Lactobacillus paracasei</i>	Produit laitier	2,00E+05	-4	0,00	-	27	0,01	-
M1	<i>Micrococcus spp.</i>	Environnement	3,00E+05	-5	0,00	-	29	0,01	-
PP17	<i>Pseudomonas putida</i>	Champignons	5,60E+05	-4	0,00	-	26	0,01	-
PP8	<i>Pseudomonas putida</i>	Poisson	6,00E+05	4	0,00	-	57	0,02	-
32	<i>Rhodococcus equi</i>	Produit carné	2,00E+05	-5	0,00	-	29	0,01	-
E3	<i>Streptococcus bovis</i>	Collection	3,00E+05	-4	0,00	-	29	0,01	-
E10	<i>Streptococcus bovis</i>	Collection	2,50E+05	-5	0,00	-	22	0,00	-
ST12	<i>Staphylococcus hyicus</i>	Produit carné	6,00E+05	-5	0,00	-	25	0,01	-
ST3	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	Yaourt	6,00E+05	-5	0,00	-	26	0,01	-
ST15	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	Collection ATCC 12228	2,40E+05	-4	0,00	-	22	0,00	-
ST17	<i>Staphylococcus aureus</i>	Yaourt	5,80E+05	8	0,00	-	42	0,01	-

ANNEXE 5: RESULTATS DU LABORATOIRE EXPERT

Laboratoire Expert

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-6	0,00	-	13	0,00	-	/	+	=
2	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-5	0,00	-	17	0,00	-	/	+	=
3	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	4	0,00	-	175	0,06	-	/	-	=
4	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-5	0,00	-	15	0,00	-	/	-	=
5	+MA	+MA	+MA	+HA	+	=	6717	1,71	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+LA	+MA	+MA	+HA	+	=	6711	1,71	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+MA	+MA	+MA	+HA	+	=	6592	1,68	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+LA	+LA	+HA	+HA	+	=	-6	0,00	-	15	0,00	-	Ø	-	#
9	+MA	+HA	+MA	+HA	+	=	7818	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+HA	+HA	+HA	+HA	+	=	7714	1,96	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+MA	+HA	+MA	+HA	+	=	7818	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+MA	+HA	+MA	+HA	+	=	7731	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-6	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
14	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-5	0,00	-	13	0,00	-	/	-	=
15	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-4	0,00	-	13	0,00	-	/	-	=
16	Ø	Ø	Ø	Ø	-	=	-5	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
17	+LA	+MA	+MA	+HA	+	=	6915	1,76	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+LA	+LA	+MA	+HA	+	=	6696	1,70	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+LA	+MA	+MA	+HA	+	=	7093	1,80	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+MA	+MA	+MA	+HA	+	=	6811	1,73	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+MA	+HA	+HA	+HA	+	=	7722	1,96	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+MA	+HA	+MA	+HA	+	=	7557	1,92	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+MA	+HA	+MA	+HA	+	=	7465	1,90	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+MA	+HA	+MA	+HA	+	=	7646	1,94	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

ANNEXE 6: RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire A

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	RLM	OAA	RLM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	10136	2,34	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	12508	2,89	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	-	-	-	-	-	#	12157	2,81	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	12497	2,89	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	12732	2,94	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	12654	2,92	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	12909	2,98	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	11839	2,73	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	14	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	14	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	13	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	12347	2,85	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	11725	2,71	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	11484	2,65	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	11373	2,63	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	11119	2,57	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	11393	2,63	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	11432	2,64	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	7574	1,93	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
Dénombrement du lait (en UFC/ml) :						1									

Laboratoire B

Référence	Méthode de référence				Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus	
	Fraser 1/2		Fraser			Résultat	Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation		Résultat
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	8276	1,92	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	8289	1,91	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	7693	1,79	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	7596	1,76	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	7410	1,72	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	7821	1,81	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	7687	1,78	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	7849	1,82	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	7773	1,83	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	7719	1,81	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	8315	1,95	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8391	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8241	1,94	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	7982	1,88	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	8124	1,91	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	8334	1,96	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
Dénombrement du lait (en UFC/ml) :						<1									

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire C

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	2	0,00	-	24	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	1	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	14	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	8071	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	-	-	-	-	-	#	8154	2,01	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	8472	2,09	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	8266	2,04	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	8562	2,11	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	8066	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	8142	2,01	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	7966	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	7780	1,92	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	7699	1,90	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	7640	1,88	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	7508	1,85	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	7398	1,82	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	7549	1,86	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	7565	1,87	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	7674	1,89	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1

Laboratoire E

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	9815	2,25	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	9383	2,15	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	-1	0,00	+	9	0,00	+ par défaut	+	+	#
8	+	+	+	+	+	=	11134	2,55	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	11894	2,72	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	11431	2,62	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	11657	2,67	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	10679	2,44	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	9420	2,15	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	9306	2,13	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	8992	2,15	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8880	2,12	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	9175	2,19	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	9046	2,16	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	9124	2,18	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	8322	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) :

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire F

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-1	0,00	-	14	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	8204	1,75	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	7481	1,60	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	7861	1,68	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	7959	1,70	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	8143	1,74	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	8037	1,72	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	8031	1,71	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	7265	1,55	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	22	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	14	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	14	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	0	0,00	-	308	0,10	+	Ø	-	=
17	+	+	+	+	+	=	7773	1,83	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	7719	1,81	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	8315	1,95	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8391	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8241	1,94	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	7982	1,88	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	8124	1,91	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	8334	1,96	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1

Laboratoire G

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-1	0,00	-	13	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	8887	2,53	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	8992	2,56	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	8574	2,44	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	8458	2,40	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	8385	2,38	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	8758	2,49	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	8718	2,48	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	8606	2,45	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	0	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	8795	2,50	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	9070	2,58	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	8497	2,42	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8498	2,42	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8714	2,48	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	9183	2,61	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	8919	2,54	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	8918	2,54	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : 1

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire H

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-1	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	0	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	10996	2,51	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	11002	2,51	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	9339	2,13	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	9681	2,21	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	9850	2,25	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	10040	2,29	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	9974	2,28	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	10149	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	7	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	13	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	10147	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	-2	0,00	-	12	0,00	-	/	-	#
19	+	+	+	+	+	=	9547	2,18	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	10058	2,30	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	10175	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	10154	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	10274	2,34	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	10118	2,31	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
Dénombrement du lait (en UFC/ml) :						<1									

Laboratoire J

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	9012	2,01	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	-	-	-	-	-	#	9041	2,01	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	9113	2,03	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	9002	2,00	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	9091	2,02	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	9145	2,04	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	9248	2,06	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	8852	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	9874	2,20	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	8744	1,95	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	8727	1,94	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8754	1,95	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8565	1,91	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	8638	1,92	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	8268	1,84	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	7690	1,71	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
Dénombrement du lait (en UFC/ml) :						1									

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire K

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo							Comparaison / résultats attendus	
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation		Résultat
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	8079	1,74	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	7598	1,63	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	8112	1,74	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	7850	1,69	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	8247	1,77	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	7569	1,63	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	7594	1,63	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	7933	1,70	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	8497	1,83	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	7042	1,51	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	6953	1,49	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	7117	1,53	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	7495	1,61	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	7515	1,61	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	7379	1,58	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	7445	1,60	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1

Laboratoire L

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo							Comparaison / résultats attendus	
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation		Résultat
	OAA	PALCAM & RLM	OAA	PALCAM & RLM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
5	-	-	-	-	-	#	10092	2,65	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	10020	2,63	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	9490	2,49	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	9607	2,53	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	9236	2,43	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	9798	2,58	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	9459	2,49	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	9481	2,49	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	6	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	9776	2,57	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	9862	2,59	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	9447	2,48	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	9631	2,53	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	9459	2,49	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	9642	2,53	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	9497	2,50	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	9546	2,51	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire M

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS Listeria Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	6	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	7756	1,89	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	7814	1,90	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	8982	2,18	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	8770	2,13	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	9001	2,19	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	8903	2,17	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	8904	2,17	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	8624	2,10	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	6	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	5	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	6	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	6	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	-2	0,00	-	7	0,00	-	/	-	#
18	+	+	+	+	+	=	8847	2,15	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	6154	1,50	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8640	2,10	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8621	2,10	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	8586	2,09	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	8223	2,00	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	8201	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
Dénombrement du lait (en UFC/ml) : 20															

Laboratoire N

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS Listeria Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	9584	2,55	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	9837	2,62	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	10295	2,74	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	-	-	-	-	-	#	10545	2,81	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	10380	2,77	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	10409	2,77	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	10546	2,81	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	10622	2,83	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	9559	2,54	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	9649	2,57	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	10255	2,73	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	10421	2,77	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	10365	2,76	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	10321	2,75	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	10266	2,79	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	10456	2,78	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1															

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire O

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS Listeria Duo							Comparaison / résultats attendus	
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation		Résultat
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-1	0,00	-	6	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	7	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	0	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	-	-	+	+	+	=	8764	2,15	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	-	+	+	+	+	=	8837	2,17	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	-	+	+	+	=	8993	2,21	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	9164	2,25	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	9181	2,25	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	9446	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	9350	2,30	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	8488	2,08	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	0	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
17	-	+	+	+	+	=	-3	0,00	-	25	0,00	-	/	-	#
18	-	+	+	+	+	=	8130	2,00	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	-	-	+	+	+	=	8281	2,03	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8485	2,08	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8136	2,00	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	8356	2,05	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	8476	2,08	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	7969	1,96	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1

Laboratoire P

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS Listeria Duo							Comparaison / résultats attendus	
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation		Résultat
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	0	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	12	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	9461	2,30	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	9549	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	10024	2,43	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	9990	2,43	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	9347	2,27	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	9347	2,27	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	9256	2,25	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	9588	2,33	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	16	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	10	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	11	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	17	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	9421	2,29	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	9328	2,26	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	9481	2,30	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	9562	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	9500	2,31	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	9769	2,37	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	9344	2,27	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	9560	2,32	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <1

RESULTATS INDIVIDUELS DES LABORATOIRES COLLABORATEURS

Laboratoire Q

Référence	Méthode de référence					Comparaison / résultats attendus	Méthode alternative VIDAS <i>Listeria</i> Duo								Comparaison / résultats attendus
	Fraser 1/2		Fraser		Résultat		Test DLMO		Résultat du test	Test DLIS		Résultat du test	Confirmation	Résultat	
	OAA	PALCAM	OAA	PALCAM			RFV	VT		RFV	VT				
1	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
2	-	-	-	-	-	=	-5	0,00	-	7	0,00	-	/	-	=
3	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	9	0,00	-	/	-	=
4	-	-	-	-	-	=	-3	0,00	-	8	0,00	-	/	-	=
5	+	+	+	+	+	=	8800	2,09	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
6	+	+	+	+	+	=	8493	2,02	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
7	+	+	+	+	+	=	8655	2,05	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
8	+	+	+	+	+	=	8703	2,07	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
9	+	+	+	+	+	=	8830	2,10	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
10	+	+	+	+	+	=	8677	2,06	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
11	+	+	+	+	+	=	8558	2,03	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
12	+	+	+	+	+	=	8290	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
13	-	-	-	-	-	=	-2	0,00	-	7	0,00	-	/	-	=
14	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	7	0,00	-	/	-	=
15	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	7	0,00	-	/	-	=
16	-	-	-	-	-	=	-4	0,00	-	5	0,00	-	/	-	=
17	+	+	+	+	+	=	8141	1,93	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
18	+	+	+	+	+	=	8255	1,96	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
19	+	+	+	+	+	=	8371	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
20	+	+	+	+	+	=	8306	1,97	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
21	+	+	+	+	+	=	8371	1,99	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
22	+	+	+	+	+	=	8062	1,91	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
23	+	+	+	+	+	=	9013	1,90	+	/	/	+ par défaut	+	+	=
24	+	+	+	+	+	=	9526	2,26	+	/	/	+ par défaut	+	+	=

Dénombrement du lait (en UFC/ml) : <10

ANNEXE 7 :

ETUDE INTERLABORATOIRE
DEGRE D'ACCORD

METHODE ALTERNATIVE

Niveau L0

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Probabilité de négatifs	Probabilité de paires de négatifs	Probabilité de positifs	Probabilité de paires de positifs	Probabilité de paires de résultats identiques
Laboratoire A	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire B	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire C	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire E	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire F	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire G	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire H	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire J	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire K	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire L	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire M	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire N	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire O	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire P	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire Q	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Moyenne :							1,00
Degré d'accord :							100%

Niveau L1

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Probabilité de négatifs	Probabilité de paires de négatifs	Probabilité de positifs	Probabilité de paires de positifs	Probabilité de paires de résultats identiques
Laboratoire A	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire B	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire C	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire E	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire F	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire G	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire H	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire J	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire K	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire L	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire M	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire N	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire O	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire P	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire Q	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Moyenne :							0,94
Degré d'accord :							94%

Niveau L2

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Probabilité de négatifs	Probabilité de paires de négatifs	Probabilité de positifs	Probabilité de paires de positifs	Probabilité de paires de résultats identiques
Laboratoire A	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire B	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire C	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire E	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire F	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire G	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire H	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire J	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire K	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire L	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire M	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire N	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire O	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire P	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire Q	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Moyenne :							1,00
Degré d'accord :							100%

METHODE DE REFERENCE

Niveau L0

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Probabilité de négatifs	Probabilité de paires de négatifs	Probabilité de positifs	Probabilité de paires de positifs	Probabilité de paires de résultats identiques
Laboratoire A	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire B	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire C	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire E	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire F	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire G	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire H	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire J	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire K	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire L	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire M	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire N	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire O	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire P	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire Q	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Moyenne :							1,00
Degré d'accord :							100%

Niveau L1

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Probabilité de négatifs	Probabilité de paires de négatifs	Probabilité de positifs	Probabilité de paires de positifs	Probabilité de paires de résultats identiques
Laboratoire A	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire B	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire C	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire E	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire F	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire G	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire H	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire J	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire K	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire L	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire M	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire N	8	7	0,88	0,77	0,13	0,02	0,78
Laboratoire O	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire P	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire Q	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Moyenne :							0,93
Degré d'accord :							93%

Niveau L2

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Probabilité de négatifs	Probabilité de paires de négatifs	Probabilité de positifs	Probabilité de paires de positifs	Probabilité de paires de résultats identiques
Laboratoire A	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire B	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire C	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire E	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire F	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire G	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire H	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire J	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire K	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire L	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire M	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire N	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire O	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire P	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Laboratoire Q	8	8	1,00	1,00	0,00	0,00	1,00
Moyenne :							1,00
Degré d'accord :							100%

ANNEXE 8 :

ETUDE INTERLABORATOIRE
CONCORDANCE

METHODE ALTERNATIVE

Niveau L0

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Paires interlaboratoires avec le même résultat	Nombre total de paires interlaboratoires
Laboratoire A	8	8	896	896
Laboratoire B	8	8	896	896
Laboratoire C	8	8	896	896
Laboratoire E	8	8	896	896
Laboratoire F	8	8	896	896
Laboratoire G	8	8	896	896
Laboratoire H	8	8	896	896
Laboratoire J	8	8	896	896
Laboratoire K	8	8	896	896
Laboratoire L	8	8	896	896
Laboratoire M	8	8	896	896
Laboratoire N	8	8	896	896
Laboratoire O	8	8	896	896
Laboratoire P	8	8	896	896
Laboratoire Q	8	8	896	896
Total			13440	13440
Concordance	100,00%			

Niveau L1

Laboratoire	Nb de positifs attendus	Nb de positifs obtenus	Paires interlaboratoires avec le même résultat	Nombre total de paires interlaboratoires
Laboratoire A	8	8	864	896
Laboratoire B	8	8	864	896
Laboratoire C	8	8	864	896
Laboratoire E	8	7	766	896
Laboratoire F	8	8	864	896
Laboratoire G	8	8	864	896
Laboratoire H	8	7	766	896
Laboratoire J	8	8	864	896
Laboratoire K	8	8	864	896
Laboratoire L	8	8	864	896
Laboratoire M	8	7	766	896
Laboratoire N	8	8	864	896
Laboratoire O	8	7	766	896
Laboratoire P	8	8	864	896
Laboratoire Q	8	8	864	896
Total			12568	13440
Concordance	93,51%			

Niveau L2

Laboratoire	Nb de positifs attendus	Nb de positifs obtenus	Paires interlaboratoires avec le même résultat	Nombre total de paires interlaboratoires
Laboratoire A	8	8	896	896
Laboratoire B	8	8	896	896
Laboratoire C	8	8	896	896
Laboratoire E	8	8	896	896
Laboratoire F	8	8	896	896
Laboratoire G	8	8	896	896
Laboratoire H	8	8	896	896
Laboratoire J	8	8	896	896
Laboratoire K	8	8	896	896
Laboratoire L	8	8	896	896
Laboratoire M	8	8	896	896
Laboratoire N	8	8	896	896
Laboratoire O	8	8	896	896
Laboratoire P	8	8	896	896
Laboratoire Q	8	8	896	896
Total			13440	13440
Concordance	100,00%			

METHODE DE REFERENCE

Niveau L0

Laboratoire	Nb de négatifs attendus	Nb de négatifs obtenus	Paires interlaboratoires avec le même résultat	Nombre total de paires interlaboratoires
Laboratoire A	8	8	896	896
Laboratoire B	8	8	896	896
Laboratoire C	8	8	896	896
Laboratoire E	8	8	896	896
Laboratoire F	8	8	896	896
Laboratoire G	8	8	896	896
Laboratoire H	8	8	896	896
Laboratoire J	8	8	896	896
Laboratoire K	8	8	896	896
Laboratoire L	8	8	896	896
Laboratoire M	8	8	896	896
Laboratoire N	8	8	896	896
Laboratoire O	8	8	896	896
Laboratoire P	8	8	896	896
Laboratoire Q	8	8	896	896
Total			13440	13440
Concordance	100,00%			

Niveau L1

Laboratoire	Nb de positifs attendus	Nb de positifs obtenus	Paires interlaboratoires avec le même résultat	Nombre total de paires interlaboratoires
Laboratoire A	8	7	760	896
Laboratoire B	8	8	856	896
Laboratoire C	8	7	760	896
Laboratoire E	8	8	856	896
Laboratoire F	8	8	856	896
Laboratoire G	8	8	856	896
Laboratoire H	8	8	856	896
Laboratoire J	8	7	760	896
Laboratoire K	8	8	856	896
Laboratoire L	8	7	760	896
Laboratoire M	8	8	856	896
Laboratoire N	8	7	760	896
Laboratoire O	8	8	856	896
Laboratoire P	8	8	856	896
Laboratoire Q	8	8	856	896
Total			12360	13440
Concordance	91,96%			

Niveau L2

Laboratoire	Nb de positifs attendus	Nb de positifs obtenus	Paires interlaboratoires avec le même résultat	Nombre total de paires interlaboratoires
Laboratoire A	8	8	896	896
Laboratoire B	8	8	896	896
Laboratoire C	8	8	896	896
Laboratoire E	8	8	896	896
Laboratoire F	8	8	896	896
Laboratoire G	8	8	896	896
Laboratoire H	8	8	896	896
Laboratoire J	8	8	896	896
Laboratoire K	8	8	896	896
Laboratoire L	8	8	896	896
Laboratoire M	8	8	896	896
Laboratoire N	8	8	896	896
Laboratoire O	8	8	896	896
Laboratoire P	8	8	896	896
Laboratoire Q	8	8	896	896
Total			13440	13440
Concordance	100,00%			