# Funcionamiento del sistema NextSeq™ 500



Preparación de la celda de flujo 3 Biblioteca preparada y cuantificada o bibliotecas agrupadas Kit NextSeq 500 (Alto rendimiento o rendimiento medio) [Opcional] Kit de control PhiX de Illumina а Con el embalaje metálico intacto, deje la celda de flujo empaquetada aparte a temperatura ambiente durante 30 minutos. Con unos quantes nuevos, retire la celda de fluio del b Planificación del experimento embalaje metálico y del estuche de plástico transparente. en BaseSpace® Tras retirar la celda de fluio del embalaie metálico, utilice la celda de flujo dentro En el caso de instrumentos configurados con de un plazo de 12 horas. BaseSpace, tenga en cuenta lo siguiente: Planifique el experimento desde la ficha BaseSpace Prep Inspeccione y limpie la celda de flujo. С Ä (Preparación BaseSpace). Consulte la Guía del usuario de BaseSpace. Muestras biológicas: Registre información sobre а Preparación y carga de bibliotecas las muestras que se secuenciarán. Bibliotecas: Las bibliotecas son muestras biológicas b El paso de desnaturalización se aplica a la preparadas con adaptadores. Seleccione el tipo de mayoría de tipos de bibliotecas. La adición preparación de bibliotecas, asigne índices y un nombre de un control PhiX a la biblioteca agrupada a las bibliotecas. es opcional. Grupos: Un grupo de bibliotecas se secuencia en un único С Consulte Denaturing and Diluting Libraries experimento. Asigne un nombre único al grupo. Un grupo for NextSeq (Desnaturalización y dilución puede estar formado por una o varias bibliotecas. de bibliotecas para NextSeg). Experimentos planificados: Asocie un grupo al d а Desnaturalice las bibliotecas v. después, diluva experimento, especifique los parámetros y asigne

- un nombre único al experimento. Haga clic en Sequence (Secuenciar). El experimento е
- está listo para secuenciarse.

#### Preparación del cartucho de reactivos

Asegúrese de que el embalaje metálico de la celda de fluio y el cartucho de reactivos tengan el etiquetado del mismo tipo de kit, va sea alto o medio.

- Descongele el cartucho de reactivos durante una hora а al baño maría con una cantidad de agua a temperatura ambiente suficiente para sumergir solo la base.
- **b** Inspeccione visualmente los depósitos más grandes para asegurarse de que los reactivos están totalmente descongelados y no contienen burbujas de aire.
- Con un paño, limpie el sello metálico que cubre el depósito n.º 28, perfore el sello con una punta de pipeta de 1 ml y añada una dilución fresca de 0,03 %-0,06 % NaOCI.

- a una concentración de carga de ~3 pM. en función del método de cuantificación.
- [Opcional] Desnaturalice y diluya la biblioteca de control b PhiX a 20 pM. Guarde la biblioteca PhiX 20 pM no utilizada hasta un máximo de dos semanas a una temperatura de entre -25 y -15 °C.
- [Opcional] Añada el PhiX a la dilución de la biblioteca. С Carque las bibliotecas en el cartucho



de reactivos cuando el cartucho se haya descongelado totalmente y esté listo para configurar el experimento.

d Con un paño, limpie el sello metálico que cubre el depósito n.º 10, perfore el sello con una punta de pipeta de 1 ml v dispense la biblioteca.

#### Configuración de análisis secundario



### Configuración del experimento



(Secuenciar). La puerta de la celda de flujo se abre y el sistema se prepara para la configuración del experimento.

En la interfaz de NCS, seleccione Sequence

En el caso de instrumentos configurados con BaseSpace, inicie sesión en BaseSpace.

Carque la celda de flujo. Seleccione Load (Cargar). Confirme el ID de la celda de flujo que se muestra en la pantalla.



Con las dos manos, retire la bandeja de reactivos utilizados. Vacíe la bandeja de reactivos utilizados y vuelva a cargarla.



Cargue el cartucho de tampón. Confirme el ID de tampón que se muestra en la pantalla.



Carque el cartucho de reactivo. Seleccione Load (Cargar). Confirme el ID de reactivo que se muestra en la pantalla.

#### Run Setup

En el caso de instrumentos configurados con BaseSpace, seleccione un experimento disponible. En el caso de configuraciones autónomas, especifique los parámetros del experimento.



Revise los resultados de comprobación anteriores al experimento. Seleccione Start (Empezar) para empezar el experimento.

## Monitorización del experimento

Monitorice el progreso del experimento desde la interfaz de NCS.

Ciclo 1-5	Generación de plantillas
Ciclo 5-25	Intensidad y densidad de grupos
A partir del	% PF, rendimiento estimado
ciclo 25	y puntuaciones Q
	opitarias al avrarimante dasde la fisha

[Opcional] Monitorice el experimento desde la ficha BaseSpace Runs (Experimentos BaseSpace) o desde

el SAV de otro ordenador. Tras el ciclo 25, las llamadas de bases se transfieren

a la ubicación de destino especificada.

© 2014 Illumina, Inc. Todos los derechos reservados

Illumina, IlluminaDx, 24sure, BaseSpace, BeadArray, BeadXpress, BlueFish, BlueFuse, BlueGnome, cBot, CSPro, CytoChip, DASL, DesignStudio, Eco, GAlk, Genetic Energy, Genome Analyzer, GenomeStudio, GoldenGate, HiScan, HiSeq, HiSeq, X, Infinium, iScan, iSelect, MiSea, MiSeaDx, NeoPrep, Nextera, NextSea, NuPCR, SeaMonitor, Solexa, TruGenome, TruSea, TruSioht, Understand Your Genome, UYG, VeraCode, VeriSea, el color narania calabaza y el diseño de las bases de streaming de Genetic Energy son marcas comerciales o marcas comerciales registradas de Illumina, Inc. en los EE. UU. y otros países. Todos los demás nombres, logotipos y marcas comerciales pertenecen a sus respectivos propietarios. N.º de referencia 15053003 A ESP

## illumina