

HLA Fusion™ Versão 3.0

REF FUSPGR

IVD Para utilização em diagnóstico *in vitro*.

UTILIZADORES-ALVO

Todos os utilizadores do Software HLA Fusion™. Este software aplica-se ao LABScreen®, LAT™, LCT™, FlowPRA®, LABType® e Micro SSP™.

CONTEÚDO DA VERSÃO

O pacote HLA Fusion™ 3.0 inclui os seguintes itens:

1. CD do HLA Fusion™ 3.0
2. Manual do Utilizador do HLA Fusion™ 3.0
3. Guia de instalação do HLA Fusion™ 3.0
4. Notas de lançamento do HLA Fusion™ 3.0
5. Manual do Utilizador do HLA Fusion™ 3.0 Database Utility

SOFTWARE MÍNIMO NECESSÁRIO

- Um dos seguintes sistemas operativos:
 - Microsoft® Windows® 7
 - Microsoft® Windows® XP (Service Pack 2 ou 3, no mínimo) (apenas 32 bits)
- Para sistemas Windows XP, Microsoft® Windows® Installer 3.1
- Microsoft® .NET Framework Versão 3.5 (Service Pack 1)*
- Visual JSharp (a versão deve corresponder à versão do .NET Framework que está a utilizar)*
- Microsoft® SQL Server 2005 Express*, Microsoft® SQL Server 2005 Enterprise, Microsoft® SQL Server 2008 Express, Microsoft® SQL Server 2008 versão Enterprise

Nota: Antes de efetuar a atualização para um novo Service Pack a partir de um terceiro fornecedor como a Microsoft, contacte o seu representante One Lambda para verificar se o HLA Fusion suporta esse pacote. Se não cumprir alguns dos requisitos da Microsoft acima listados, consulte o website Microsoft.com.

HARDWARE MÍNIMO NECESSÁRIO

- Processador Pentium de 1 GHz
- Microprocessador de 32 bits (x86) ou de 64 bits (x64)
- 1 GB de espaço no disco rígido (poderá ser necessário mais espaço para bases de dados maiores)

Nota: Independentemente do local onde instalar o HLA Fusion, poderão ser necessários, no máximo, 400 MB de espaço no seu disco rígido local para ficheiros de instalação temporários, bem como para outros programas que possa precisar.

- 512 MB de RAM
- Adaptador de gráficos e visualização de 8 bits (para 256 cores simultâneas)
- Visor VGA com uma resolução mínima de 1280 x 768
- Rato ou outro dispositivo apontador compatível com Windows®; para determinados produtos poderá ser necessário um rato com roda
- Um controlador de impressora compatível com Windows® (PDF Distiller ou Microsoft Document Image Writer estão disponíveis gratuitamente)

*** Incluído na instalação do HLA Fusion.**

ALTERAÇÕES EFETUADAS

Foram efetuadas as seguintes alterações ao Software HLA Fusion™ desde a sua versão 2.0 e aos respetivos Service Packs:

Aperfeiçoamentos

- O sistema substituiu o suporte do algoritmo de separação de beads sobrepostas para todos os produtos LABType® HD, utilizando a lógica RSSOH1C existente.
- O sistema suporta agora a correção FJ para um único antigénio de Classe II, similar ao W632 para a Classe I.
- Os utilizadores podem agora selecionar uma Página inicial predefinida para visualizarem quando iniciarem a sessão no HLA Fusion.
- O sistema permite agora aos utilizadores definirem ou visualizarem o caminho da saída de conversão LABType HD. Este caminho será utilizado para armazenar ficheiros CVS convertidos de kits LABType HD.
- O sistema oferece agora opções de tipo de sangue A1, B2, A1B e A2B no formulário do paciente.
- O sistema tem um tutorial adicional e funcionalidades "Show Me" (Mostrar-me) na ajuda online.
- O sistema possui agora um campo para o caminho do ficheiro de saída LABType HD. Este caminho será utilizado para armazenar ficheiros CVS convertidos de kits LABType HD.
- O sistema otimizou a cor Bw4/Bw6 no LABScreen para distinguir a especificidade.
- As sondas na Tabela de reações na Análise LABType são agora apresentadas a cores com base na região de exão para melhor distinguir as sondas.
- O sistema pode agora utilizar uma nova convenção de nomenclatura de beads (Analito). O sistema inclui agora um campo Luminex Device (Dispositivo Luminex) e um campo Software Version (Versão de Software) nos ecrãs de importação e resumo do lote, bem como nos relatórios personalizados. Estes campos são apresentados apenas nos produtos LABType e LABScreen.
- Os utilizadores podem agora reconfigurar qualquer base de dados HLA Fusion para aumentar o tamanho máximo da base de dados.
- Os utilizadores podem agora unir bases de dados de registos de auditoria HLA Fusion.
- O sistema permite agora aos utilizadores enviar feedback e relatórios sobre o software por e-mail a partir da aplicação HLA Fusion.
- A base de dados HLA Fusion foi otimizada em termos de espaço e indexação.
- Os utilizadores podem agora procurar e classificar todas as amostras atribuídas com uma determinada especificidade.
- Os resultados dos testes de tipologia estão agora disponíveis na descrição quando o utilizador passa o rato por cima de uma amostra no histograma de CQ no primeiro quadrante da análise LABType.
- Está agora disponível uma função de valores de interrupção definidos pelo utilizador nos produtos LABScreen PRA.
- Os campos Bead ID (ID de bead), Raw Data (Dados em bruto) e Specificities (Especificidades) estão agora disponíveis na configuração de Exportação de dados.
- Os utilizadores podem agora incluir mais informações sobre o laboratório em relatórios personalizados.
- No módulo Patient Ab Tracking (Localizar pacientes Ab), os utilizadores podem agora optar por localizar apenas anticorpos que cumprem um valor de interrupção definido pelo utilizador.
- As exportações e impressões do gráfico da coluna (Spec) incluem agora uma legenda que apresenta a ID de amostra que corresponde a cada índice de amostra. Esta funcionalidade permite aos utilizadores identificarem que gráfico de barras pertence a cada ID de amostra.
- O separador Haplo no LABType agrupa agora de acordo com a verdadeira organização de haplotipo.

- A análise LABScreen apresenta agora a informação de correspondência/não correspondência de Anticorpos específicos do dador (DSA).
- O relatório personalizado de anticorpos apresenta agora a informação de correspondência/não correspondência de DSA. A informação é apresentada numa tabela e inclui as IDs dos dadores, os DSA, os dados em bruto do teste e destaques a indicar a correspondência/não correspondência ou os grupos por correspondência/não correspondência.
- O sistema permite agora aos utilizadores efetuar a atribuição final de um único alelo. Além disso, quando um resultado homozigótico tiver sido confirmado por um estudo familiar, o utilizador pode ativar uma notação "Homozygous Assignment Confirmed" (Designação homozigótica confirmada) para fins de elaboração de relatórios, para além da anexação de registos relacionados.
- O relatório personalizado de anticorpos inclui agora um gráfico que apresenta a especificidade (serológica, no mínimo) e a ID da bead representada em gráfico contra os valores normalizados de Intensidade média de fluorescência (MFI).
- Os valores de controlo (NC e PC) são agora apresentados na tabela de dados para cada amostra no módulo Antibody Tracking (Localizar anticorpos).
- Está agora disponível um relatório/exportação, similar a uma folha de cálculo do Microsoft® Excel, na qual a primeira coluna inclui todos os nomes das amostras, pertencendo cada linha a uma amostra diferente e sendo as restantes colunas da esquerda para a direita as IDs das beads, com os dados em bruto associados a cada amostra.
- O campo "%SA" faz agora parte do Seletor de campos, para que os utilizadores possam proceder à sua remoção nos relatórios de resumo.
- Nos resultados da Análise de Epítopo na análise LABScreen e nos respetivos relatórios, a Média (em bruto) de positivos foi substituída pela Média (normal) de positivos.
- Os valores de MFI e normalizados são agora apresentados como números inteiros.
- Na secção HLA Assignments Serology (Serologia de atribuições HLA) do módulo Manage Patient (Gerir paciente), os utilizadores podem agora atribuir o Bw4/6 e, em seguida, localizar o Bw4/6 no módulo Ab Tracking (Localizar Ab).
- Os utilizadores podem agora exportar as informações sobre o produto LABType que se assemelham aos ficheiros temporários utilizados para importar as informações sobre o produto no HLA Visual.
- A função Find Antigen (Localizar antígeno) na análise LABScreen Mixed funciona agora de forma semelhante à sua homóloga na análise LABScreen PRA/SA, na qual os antígenos amplos podem ser pesquisados e os respetivos antígenos fragmentados são apresentados com um círculo. Por exemplo, se um determinado antígeno amplo, A9, for pesquisado, os antígenos fragmentados A23 e A24 são apresentados circundados.
- O sistema possui agora uma função Donor PRA (PRA de dador) semelhante à utilizada na análise LABScreen para o módulo Patient Ab Tracking (Localizar pacientes Ab), no qual a percentagem é calculada para a Classe I e para a Classe II de um determinado soro.
- As especificidades na secção de detalhes do teste do relatório (Custom Antibody) (Anticorpo personalizado) encontram-se agora ordenadas alfanumericamente, sendo que o locus é tratado como um carácter alfabético e a porção numérica é tratada como caracteres numéricos.
- Os alelos DQA e DPA são considerados na Análise caudal e de epítopo do Single Antigen de Classe II.
- Os valores de interrupção de cada um dos testes individuais encontram-se agora incluídos na lista abaixo da grelha do tabuleiro no LAT-Mixed Raw Data Report (Relatório de dados em bruto do LAT-Mixed). Além disso, foi adicionada uma coluna para cada localização de Valor de interrupção.
- A página da análise LABType foi agora otimizada para incluir detalhes de todos os resultados de cada locus. À medida que os resultados são guardados para cada locus, o resultado serológico ou o código do alelo de cada locus preenche a secção "all loci" (todos os locus).
- Os títulos dos relatórios personalizados (tal como Molecular Custom [Relatório molecular personalizado]) estão agora limitados a 50 caracteres.

- A procura por ID de sessão ou ID de amostra nos diversos módulos, tais como Manage Data (Gerir dados) e Reporter (Gerador de relatórios), suporta agora caracteres chineses.
- O sistema reconhece agora o leitor ELISA a partir de outras portas COM para além da porta COM 1.
- A análise Micro SSP ignora agora o primeiro poço (1H) ao determinar se pretende analisar poços não amplificados com uma pontuação positiva e negativa.
- As especificidades na secção Reaction Score (Pontuação de reação) do relatório Custom Antibody (Anticorpo personalizado) estão agora ordenadas da forma como UNOS ordena as especificidades, ou seja, por locus (A, B, BW, DR, DQAB) e, dentro de cada locus, são ordenadas numericamente. Além disso, em cada grupo de reações, cada especificidade é listada apenas uma vez, em oposição à listagem para cada bead.
- O relatório Combined Sample (Amostra combinada) no módulo Reporter (Gerador de relatórios) possui agora a opção de apresentar os pares de alelos atribuídos no campo Corrected Typing (Tipologia corrigida) em vez do campo Assigned Allele Codes (Códigos de alelos atribuídos).
- O sistema oferece agora a clarificação de que as definições de configuração da análise LAT não se aplicam à análise LATM.
- O sistema permite agora aos utilizadores atualizarem os códigos NMDP existentes. O sistema substitui os códigos NMDP existentes sempre que for efetuada uma atualização.
- O módulo Manage Data (Gerir dados) inclui agora um filtro de pacientes.
- Estão agora disponíveis pesquisas com caracteres universais para o filtro de ID de amostra no módulo Manage Data (Gerir dados).
- O campo Test Date (Data de teste) no relatório Custom SSP (SSP personalizado) é agora a data de análise da amostra e não a data da sessão.
- A secção Test Details (Detalhes do teste) do relatório Custom SSP (SSP personalizado) já não abrevia as especificidades dos alelos.
- A função User defined Cutoffs (Valores de interrupção definidos pelo utilizador) foi expandida para utilização com os produtos LABScreen PRA.
- Os utilizadores podem agora introduzir reações na análise SSP utilizando as teclas numéricas no teclado.
- A caixa de texto de atribuições do LABType é agora maior para que todas as atribuições possam ser visualizadas sem utilizar a barra de deslocamento.
- Os utilizadores podem agora efetuar uma atribuição final de alelos simples. Além disso, quando um resultado homocigótico tiver sido confirmado por estudo familiar, o utilizador pode ativar uma notação "Homozygous Assignment Confirmed" (Atribuição homocigótica confirmada) para fins de elaboração de relatórios.
- As especificidades na lista Final Assignment (Atribuição final) encontram-se agora codificadas por cor para diferenciar as especificidades atribuídas nos resultados da Análise caudal e de epítopo e as atribuições manuais atribuídas.
- A função Donor PRA (PRA de dador) foi adicionada ao resumo do lote.
- O sistema oferece agora a opção de agrupar sessões por data do teste em vez da data da sessão no navegador.
- Os utilizadores podem agora atribuir dadores a grupos e, em seguida, calcular a PRA de dador com base nos dadores existentes no grupo selecionado, e não com base em todos os dadores da base de dados.
- O sistema dispõe agora de uma definição de configuração para que o utilizador possa optar por não visualizar a mensagem de aviso acerca da necessidade de uma determinada resolução de ecrã e não seja forçado a alterar a resolução de ecrã.
- O sistema dispõe agora da opção de ocultar a Barra CREG na análise a partir das Antibody Analysis Configuration Settings (Definições de configuração da análise de anticorpos). Esta função permite que o gráfico e as especificidades sejam vistos integralmente em computadores com monitores mais pequenos.
- O cálculo da PRA de dador inclui agora DQA1*. Isto significa que o software considera as atribuições moleculares efetuadas no cartão do paciente para calcular a PRA de dador.

- O sistema indica agora se o código NMDP ativo é v2 ou v3.
- Após selecionar More Tests (Mais testes), os utilizadores têm agora a opção de especificar quais os testes que pretendem executar. As amostras dos testes selecionados são adicionadas a uma lista de amostras/testes cumulativa baseada nos testes específicos.
- Os diferentes níveis de intensidade de DSA são agora enfatizados através das diversas cores atribuídas pela localização de Pt Ab às especificidades Ab na tabela de antígenos de acordo com a sua intensidade.
- O sistema permite agora alterar o utilizador sem ser necessário sair da aplicação e, em seguida, iniciar a sessão novamente com um início de sessão diferente.
- O sistema apresenta agora atualizações de serologia e NMDP nas páginas iniciais dos produtos moleculares.
- Os utilizadores podem agora selecionar Auto Accept All (Aceitar tudo automaticamente) para guardar todos os resultados sugeridos para todas as amostras numa sessão LAT Mixed (LAT combinada).
- O sistema permite agora a análise de grupos G e P durante a análise LABType.
- As especificidades listadas na secção Rxn Score (Pontuação de reação) do relatório Custom Antibody (Anticorpo personalizado) correspondem agora às especificidades apresentadas na secção Test Details (Detalhes do teste).
- Os utilizadores podem agora editar comentários ao nível da sessão nos separadores LABType Session Summary (Resumo da sessão LABType), Control Value (Valor de controlo) e Bead Analysis (Análise de beads).
- O sistema dispõe agora de uma função para evitar a substituição de informações já existentes do paciente no módulo Manage Patients (Gerir pacientes).
- A data da amostra é agora apresentada durante a análise.
- A ID da sessão, a ID do paciente, a ID do poço e a data do teste encontram-se agora incluídos nos relatórios de dados em bruto nas janelas de análises.
- Os utilizadores podem agora definir opções de configuração, como por exemplo Default Threshold (Limiar predefinido) (por ex., 2X).
- No relatório Custom Antibody (Anticorpo personalizado), cada especificidade está agora separada em células individuais na secção Rxn Score (Pontuação de reação).
- Um novo relatório está disponível nos relatórios estatísticos que inclui uma listagem de todos os valores de controlo LABType e informações estatísticas tais como o número médio de amostras, valores mínimo e máximo.
- O tamanho da imagem de gel SSP no relatório Custom SSP (SSP personalizado) é agora superior a 700 pixels.
- Os utilizadores podem agora rodar e ampliar/reduzir as imagens de gel anexadas à análise.
- Os utilizadores podem agora incluir um gráfico no relatório Custom Antibody (Anticorpo personalizado) com valores MFI no eixo Y e antígenos no eixo X, ordenados por valor MFI descendente.
- Relativamente às atribuições finais na análise de anticorpos, a ordenação é agora alfanumérica.
- O relatório LABType (BMT) inclui agora uma coluna para Comments (Comentários) e outra coluna para Other Assignment (Outra atribuição).
- O sistema acrescenta agora a PRA de dador e, em seguida, as especificidades de alelos (MFI) das atribuições finais na parte final do relatório BMT - LABScreen. As especificidades dos alelos são ordenadas por ordem alfanumérica.
- Os utilizadores podem agora permanecer na amostra atual depois de uma operação de Save (Guardar) ou de Confirm (Confirmar), não sendo necessário avançar para a amostra seguinte.
- O Assigned Allele Code (Código de alelos atribuídos) no relatório BML foi substituído por Assigned Allele Pairs (Pares de alelos atribuídos).

- O sistema dispõe agora de um campo adicional na importação para introduzir o atributo secundário utilizado. Isto permite também a localização do Ab secundário.
- Os utilizadores podem agora filtrar as amostras por atributos secundários durante a localização Ab.
- O sistema possui agora campos separados para comentários - um para as mensagens de estado do sistema e outro para os comentários introduzidos pelo utilizador.
- Quando é efetuado um ajuste do valor de interrupção global, o sistema regista-o nos comentários apenas das amostras afetadas pelo valor de interrupção. Por exemplo, se for efetuado um ajuste do valor de interrupção global e apenas 5 das 96 amostras forem afetadas, o comentário de estado do valor de interrupção global é registado apenas nessas cinco amostras.
- As colunas no relatório UMC-Utrecht intituladas A1_1 Result (Resultado A1_1) e A1_2 Result (Resultado A1_2) possuem agora resultados de 4 dígitos, à exceção da letra Locus (por ex., 03:01).
- A data inicial na localização Ab é agora, por predefinição, a data da amostra associada à ID do paciente.
- Os utilizadores podem agora criar lotes múltiplos de listas de pacientes aplicando as listas de pacientes individuais a partir de uma lista de pacientes Luminex® através do Plate Designer.
- Os utilizadores podem agora importar um lote de sessões Micro SSP, incluindo a possibilidade de procurar ficheiros.
- Os utilizadores podem agora adicionar comentários a gráficos na localização Ab e imprimir os gráficos com os comentários.
- Os utilizadores podem agora navegar para a janela Ab Tracking (Localizar Ab) a partir da análise e retroceder novamente para a análise depois de fechar a janela Ab Tracking (Localizar Ab).
- A cronologia dos gráficos de localização Ab pode ser agora configurada para apresentar, por exemplo, o número total de dias representados pelo conjunto de amostras, datas das amostras atuais, etc.
- Os gráficos da localização Ab incluem agora o nome do paciente (primeiro e último nome).
- Os utilizadores podem agora procurar um paciente por ID de amostra, ID do local e outras informações do paciente.
- Os utilizadores podem agora utilizar o nome do paciente em vez da ID do paciente na localização Ab.
- Os utilizadores podem agora adicionar um dador e informações de um dador e associá-lo ao paciente atual na localização Ab.
- O sistema agora não divide as especificidades HLA por filas. Isto aplica-se particularmente ao campo Antibody Assignment (Atribuição de anticorpo) na secção Test Results (Resultados dos testes) dos relatórios Custom Antibody (Anticorpo personalizado) e Antibody Screening/ID (Rastreio/ID de anticorpos).
- O sistema apresenta agora o nome do paciente para visualização no módulo Ab Tracking (Localizar Ab).
- Os utilizadores podem agora procurar uma ID de paciente introduzindo parte da ID e selecionando-a a partir da lista apresentada em Ab Tracking (Localizar Ab).
- Os utilizadores podem agora introduzir níveis de creatinina para diversas datas que serão colocados em gráficos juntamente com os antígenos em Ab Tracking (Localizar Ab).
- Os gráficos em Ab Tracking (Localizar Ab) possuem agora um botão para expandir e contrair os gráficos.
- Os utilizadores podem agora procurar registos por ID de paciente e, em seguida, mover, arquivar ou eliminar esses registos do paciente, conforme necessário.
- Os utilizadores podem agora gerar o relatório Catalog Information (Informações de catálogo) no formato antigo.
- Os utilizadores podem agora definir uma escala mínima para os gráficos em Ab Tracking (Localizar Ab).
- Um quarto gráfico foi adicionado ao módulo Patient Ab Tracking (Localizar pacientes Ab) que rastreia a diluição de amostras, apresentando o fator de diluição no eixo X e os dados em bruto no eixo Y.
- Os utilizadores podem agora configurar o LABScreen Single Antigen (Antígeno simples LABScreen) para apresentar como predefinição a normalização W632.

- Os utilizadores podem agora aplicar a normalização W6-32 a sessões importadas.
- Os utilizadores podem agora comparar dados normalizados com W632 com dados não normalizados com W632 na tabela de Dados em bruto.
- O sistema calcula agora automaticamente a PRA de dador ao guardar/confirmar a análise de uma amostra.
- O mesmo gráfico para comparação de diferentes antigénios em vários kits LABScreen está agora disponível para amostras que já foram testadas.
- O sistema separa agora as duas colunas de alelos no módulo Forced Rxn (Reação forçada) para que sejam ordenados separadamente.
- O sistema suporta agora um relatório de exclusão de beads que apresenta um resumo do número de vezes que cada bead foi excluída de um catálogo selecionado.
- O primeiro quadrante da janela de análise LABType possui agora um separador que apresenta um histograma dos dados cumulativos do utilizador. Apresenta os valores normalizados de todas as amostras que este utilizador processou no produto (do mesmo lote) e funciona como um gráfico de CQ criado pelo utilizador. O gráfico é continuamente atualizado à medida que o utilizador utiliza o produto ao longo do tempo.
- A procura de amostras permite agora aos utilizadores introduzir alelos e uma ID de catálogo. Em seguida, o sistema apresenta todas as amostras analisadas com a ID de catálogo introduzida e os alelos introduzidos na janela Allele Pair (Par de alelos) ou Assigned Allele (Alelo atribuído).
- Os utilizadores podem agora personalizar o relatório Combined Sample (Amostra combinada) para incluir resultados serológicos e outras atribuições.
- O sistema possui agora um campo para a introdução do tipo de transplante que o paciente recebeu ou irá receber, com uma lista pendente [por ex., SPK (transplante simultâneo do pâncreas e rim), KTA (apenas transplante do rim), LDKT (transplante de rim de dador vivo), SPLK (rim e pâncreas de dador vivo) e Other (Outro)]. Existe outro campo pendente para o estado do paciente (por ex., C0 = em avaliação, C1 = listagens ativas, C2 = pendente, C3 = transplantado e C9 = falecido).
- O ecrã de resumo da sessão (lote) suporta agora a visualização das percentagens de PRA DE DADOR e permite que estas sejam comunicadas a partir daqui.
- No terceiro quadrante da janela de análise LABType, os utilizadores podem agora definir uma configuração predefinida para mostrar sempre em primeiro lugar a vista Delta.
- Os utilizadores podem agora introduzir e guardar informações sobre o teste LAT (IDs de amostras, informação sobre o tabuleiro, etc.) e, em seguida, efetuar posteriormente a leitura do tabuleiro com o software.
- Os utilizadores podem agora atribuir nomes a gráficos de Ab Tracking (Localizar Ab) exportados e selecionar o destino de exportação.
- O sistema apresenta agora a mesma informação de beads quando o utilizador seleciona o separador Bead Analysis (Análise de beads) nas sessões tal como quando o utilizador seleciona o separador Bead Info (Informação de beads) durante a análise da amostra.
- Os utilizadores podem agora manter a tabela de Raw Data (Dados em bruto) aberta e efetuar atribuições a partir da tabela.
- Com os produtos LABType HD, quando existem reações falsas, o sistema indica agora que sondas, e a sua representação nos alelos, são relevantes para as reações falsas.
- Os relatórios Thai Export e Thai Export V3 foram modificados para expandir a exportação de resultados para o LABType e LABScreen.
- O sistema suporta agora a recolha em massa de grandes quantidades de códigos de alelos com o código XX num ficheiro Excel devidamente formatado para examinar e enviar para o NMDP.
- Os utilizadores podem agora traduzir atribuições de alelos finais a partir da nomenclatura V2 para V3 utilizando o módulo Data (Dados).
- Os utilizadores podem agora introduzir a data da amostra durante a análise LAT.

- O sistema dispõe agora de uma coluna Catalog Import Date (Data de importação de catálogo) no módulo Catalog Management (Gestão de catálogo).
- Todas as ligações de atualizações disponíveis para catálogos de produtos apresentam agora a data da nomenclatura e as notas de revisão.
- O relatório LSM Detail apresenta agora a ID do paciente, o nome do paciente e a ID local na parte superior do relatório.
- Foi adicionado um novo relatório que apresenta o desempenho histórico de um produto LABScreen mostrando os valores MFI para cada bead de todas as amostras testadas.
- O relatório Molecular Custom (Molecular personalizado) contém agora reações de correspondência.
- Os utilizadores podem agora importar listas de volumes que utilizam o novo formato de NMDP.
- Se o utilizador selecionar a caixa de verificação Update Previously Downloaded Documents (Atualizar os documentos anteriormente transferidos) junto a Get Docs (Obter documentos) (a partir da página de atualização automática em Update References [Atualizar referências]), a versão mais recente dos documentos é importada, mesmo se tiverem sido importadas versões anteriores.
- Foi adicionado um novo relatório, similar ao relatório de resumo de Cutoff Adjustment (Ajuste de valor de interrupção). O novo relatório mostra, para um determinado catálogo, o número de amostras utilizadas nesse catálogo, a percentagem dessas amostras que teve um valor de controlo positivo baixo e a percentagem dessas amostras que apresentou contagens de beads baixas.
- Um novo relatório estatístico foi adicionado aos catálogos LABScreen, com a seguinte listagem de estatísticas:
 - Número total de amostras utilizando o catálogo
 - Número de amostras com uma baixa contagem de beads
 - Número de amostras com valores de controlo negativos elevados
 - Número de amostras com valores de controlo negativos baixos
- O relatório BmT LABType foi expandido para incluir testes SSP. Utiliza o mesmo formato que o relatório BmT LABType atual, mas exporta resultados SSP para esse formato.
- O sistema deteta agora automaticamente se existe uma atualização/patch de software e informa os utilizadores quanto às atualizações disponíveis. A função "Upgrade" (Atualizar) de atualização do software só está disponível para os utilizadores com nível de supervisor no HLA Fusion com direitos de administração no MS Windows.
- O relatório BmT LABScreen possui agora um campo para a PRA de dador.
- A entrada manual na análise LCT assemelha-se agora à entrada no Micro SSP, onde é possível introduzir múltiplas sessões com diferentes catálogos e/ou amostras.
- A especificidade de alelos do relatório Custom Antibody (Anticorpo personalizado) é agora apresentada em colunas individuais para cada locus, em que cada alelo é apresentado na respetiva coluna do locus.
- Foi agora incluído um gráfico no relatório Custom Antibody (Anticorpo personalizado) que mostra os antígenios e a ID da bead contra os valores MFI normalizados por ordem descendente. Assemelha-se a um gráfico da análise LABScreen.
- O LABScreen PRA/Single Antigen Summary (Resumo de PRA/Antigénio simples LABScreen) é agora um relatório ao qual se acede através do separador Report (Relatório) no resumo da sessão. O relatório inclui a ID do paciente.
- Os utilizadores podem agora ordenar as especificidades DQA e DPA no histograma durante a análise LABScreen SA.
- No campo Antibody Assignment (Atribuição de anticorpos) na secção Test Results (Resultados dos testes) dos relatórios Custom Antibody (Anticorpo personalizado) e Antibody Screening/ID (Rastrear/ID de anticorpos), os utilizadores dispõem agora da opção de não dividir as especificidades quando estas ultrapassam a linha.

- Os utilizadores podem agora editar o campo Patient ID (ID do paciente) no módulo Manage Sample Info (Gerir informações da amostra) para alterar uma ID do paciente já existente ou adicionar um paciente.
- O sistema possui agora uma função serológica atribuída por computador na análise Micro SSP similar à função disponível para a análise LABType.
- Ao iniciar uma nova sessão Micro SSP, os utilizadores podem agora adicionar um filtro de locus para restringir o número de catálogos SSP apresentados na lista pendente e, mais importante ainda, para apresentar apenas os catálogos que testam o locus selecionado.
- A análise LABType é agora efetuada mais rapidamente passando de uma amostra para outra, abreviando a lista de pares de alelos sugerida em vez de mostrar sempre a lista completa.
- A informação de ID da amostra é agora apresentada para cada resultado no relatório Custom Molecular (Molecular personalizado), mesmo quando se trata da mesma ID de amostra na mesma sessão.
- Foi adicionado um relatório que agrupa todos os códigos de alelos atribuídos num formato simples e inclui atribuições serológicas, reações de bead controladas e comentários.
- Foi adicionada uma secção ao relatório Custom Molecular (Molecular personalizado) apenas para os resultados PC e NC, junto à secção de informação da sessão.
- Foi adicionada uma função de correspondência cruzada virtual que permite aos utilizadores registar e procurar anticorpos de classe I e classe II do paciente contra a tipologia do dador.
- O sistema indica agora se um paciente ou dador pertence a outra instituição e o nome dessa instituição utilizando o módulo Manage Patient (Gerir paciente). Essa informação é apresentada nos relatórios.
- O sistema suporta agora o historial de transplante de um determinado paciente.
- O sistema suporta agora a correspondência cruzada de CDC, CDC/AHG e VX do paciente no sistema de gestão de pacientes.
- Os utilizadores podem agora efetuar uma importação automática e manual de grupos P e G a partir do local IMGT.
- O sistema suporta agora a atribuição serológica automática no módulo SSP.
- O sistema regista agora processos de manutenção da base de dados efetuados pelo utilizador.
- Os utilizadores podem agora alterar a base de dados a partir do HLA Fusion sem sair do software.
- Os utilizadores podem agora personalizar as tabelas EPITOPE (EPÍTOPOS). Os utilizadores podem agora optar por utilizar a sua própria tabela EPITOPE (EPÍTOPOS) ou uma tabela criada no sistema HLA Fusion. O sistema permite-lhe utilizar apenas letras maiúsculas para os nomes de antígenos, permitindo igualmente a utilização de tabelas já existentes como modelos na criação de novas tabelas de EPITOPE (EPÍTOPOS).
- Os utilizadores podem agora assinalar com um círculo os antígenos no ecrã de análise com base no grupo/tabela de EPITOPE (EPÍTOPOS) selecionado.
- O Perfil LAB deve ter sido atualizado para incluir os nomes dos distribuidores e os endereços de e-mail. Os endereços de e-mail devem ser separados por um ponto e vírgula (;) ou por uma vírgula (,).
- O módulo Reporting (Relatório) suporta agora a transmissão de relatórios selecionados utilizando o e-mail. O botão de e-mail só ficará ativo quando o e-mail tiver sido configurado no perfil de utilizador. É necessária uma ligação à Internet.
- O perfil de utilizador suporta agora a configuração de e-mail para permitir a utilização do Microsoft® Outlook, Hotmail, Yahoo, AOL e Google.
- Tenha em atenção que o HLA Fusion irá utilizar a ID do e-mail e o fornecedor de e-mail indicados. O HLA Fusion não garante a precisão dos endereços de e-mail nem a entrega do e-mail. É da responsabilidade do utilizador verificar e confirmar a precisão dos endereços de e-mail e confirmar a entrega do e-mail junto do destinatário.
- O HLA Fusion está a utilizar o protocolo publicado do fornecedor de transporte de e-mail e a configuração de Dez. 2011 que estão esporadicamente sujeitos a alterações. O HLA Fusion irá otimizar a configuração na versão seguinte se existirem alterações na configuração e protocolo do fornecedor de transporte de e-mail.

- O sistema suporta agora a exportação de dados do NKR (National Kidney Registry [Registo nacional de rins]) utilizando os pacientes e intervalos de datas dos produtos LABScreen SA.
- Para o RSSOH2B1 (Teste de tipologia de ADN LABType HD DRB1 SSO) lote 7B e posterior, o sistema distingue e separa os sinais das beads magnéticas regulares e sobrepostas. O requisito para esta alteração é específico apenas do kit DRB1 HD lote 07B e posterior.
- O sistema utiliza agora a bead original Luminex para mensagens de aviso de contagem de beads baixa nos kits HD.
- Os utilizadores podem agora optar por visualizar ou não a contagem de beads HD calculada na tabela de dados em bruto como parte da configuração da análise molecular.
- O sistema consegue agora indicar o tipo e a causa de ambiguidade no que diz respeito às análises de alta definição.
- Os utilizadores podem agora analisar múltiplas amostras utilizando diferentes produtos SSP no âmbito de uma única sessão.
- Os utilizadores podem agora optar por não criar conjuntos de cópias de segurança da base de dados na função Schedule Backup (Agendar cópia de segurança).
- Os utilizadores podem agora ordenar o relatório LAT-Mixed de acordo com a posição do poço.
- Os utilizadores podem agora incluir possíveis pares de alelos na função Export Data (Exportar dados).
- O sistema dispõe agora de um relatório que localiza o número de amostras excluídas em cada bead de acordo com a ID do catálogo.
- Os utilizadores podem agora criar relatórios personalizados para os testes LAT, LCT e Flow (Fluxo).
- Os utilizadores podem marcar uma amostra para a realização de mais testes e, em seguida, têm a opção de especificar quais os testes adicionais que pretendem executar.
- Os utilizadores podem agora configurar os poços na representação em gel na análise SSP para numeração.
- Os utilizadores podem agora visualizar a data das amostras na janela de seleção de amostras para uma análise lado a lado durante a análise.
- O sistema apresenta agora informações completas sobre a versão de software (incluindo a versão SP) nos relatórios.
- O sistema possui agora um relatório Australia (Austrália) no HLA Fusion para LABType (LABType - Austrália).
- O sistema suporta agora uma exportação similar ao relatório do software LAT legado.
- Os campos Class I Antibody Specificity (Especificidade de anticorpos Classe I), Class II Antibody Specificity (Especificidade de anticorpos Classe II), MIC Antibody Specificity (Especificidade de anticorpos MIC), Unacceptable Antigens (Antigénios inaceitáveis) e Acceptable Antigens (Antigénios aceitáveis) no separador Antibody (Anticorpos) do resumo de amostras do paciente são agora maiores para que os utilizadores consigam visualizar todas as informações sem terem de percorrer cada campo.
- Nos relatórios personalizados (Molecular, Anticorpo, Paciente, SSP, etc.), os utilizadores podem agora seleccionar e incluir alguns/todos os dados do paciente disponíveis nas informações do paciente/dador, incluindo a data de nascimento, etnicidade, diagnóstico, tipo de sangue, etc.
- O sistema optimizou a análise combinada Exon 4+.

Correção de erros

- A capacidade de excluir o exão 3 da análise SSP e as amostras RSSO referentes aos produtos DQ e DP.
- Quando é efetuado um valor de interrupção num kit DRB345, diferentes resultados, tais como DR52 e DR53, não são mapeados corretamente.
- A tabela de padrões de reação é agora apresentada por ordem alfanumérica. O separador de intensidade lista agora, de forma consistente, os alelos na ordem correta, apresentando os valores mais baixos dos dois alelos do lado esquerdo.
- A atribuição Bw4 Bw6 foi corrigida para ser apresentada ao nível dos alelos e não ao nível do grupo serológico. O controlo do local de reconhecimento foi atualizado para reconhecer valores negativos na localização do local de reconhecimento.
- As amostras permanecem agora na placa aquando da atribuição de duas listas de testes com a mesma ID da amostra e o mesmo teste atribuído numa placa.
- Atualizações nas funções de procura.
- Problema de instalação na plataforma de x64 bits. A secção da plataforma suportada foi atualizada e apenas as plataformas Win XP 32 e Win 7 (32 e 64 bits) são suportadas.
- O sistema permite que apenas os utilizadores com a função de administrador do sistema possam atualizar a base de dados, sendo que todos os outros utilizadores não podem efetuar tarefas relacionadas com a BD.
- Os erros de exceção causados pela combinação de amostras LABType HD com amostras Exon 4-7 devido a um controlo de baixo positivo foram corrigidos.
- As colunas NC e PC estão agora incluídas na exportação de dados.
- Os resultados da análise LAT foram otimizados, nos casos em que todas as beads são negativas, o DR51/52/53 não será sugerido como resultado.
- Os problemas com o nome da base de dados que fizeram com que o agendamento automático da cópia de segurança abrisse uma exceção foram corrigidos.
- A opção "Show matches with all testing" (Mostrar correspondências com todos os testes) que inclui os resultados do teste de locus C foi corrigida.
- Em determinadas situações únicas, o sistema permitirá ao utilizador associar o nome de um modelo a múltiplos catálogos. Isto foi alterado de forma a que os utilizadores não possam efetuar esta associação.
- A ordenação das especificidades serológicas e/ou dos alelos no campo de atribuição final foi corrigida.
- A predefinição é agora a ordenação do sistema e não persiste na ordem das amostras anteriores na análise de anticorpos.
- Na configuração do relatório Custom SSP (SSP personalizado), a atualização da data da nomenclatura e do código NMDP/Local é agora apresentada no relatório.

INSTRUÇÕES

Atualizar bases de dados a partir de versões anteriores do HLA Fusion™

Atualizar uma versão anterior de uma base de dados HLA Fusion após uma nova instalação

Para utilizadores de versões anteriores do HLA Fusion:

1. Depois de seguir as instruções do Guia de instalação do HLA Fusion para instalar a versão 3.0 do HLA Fusion, abra o Fusion Database Utility clicando duas vezes no atalho existente no ambiente de trabalho do seu computador.
2. Selecione a função **Upgrade prior versions of HLA Fusion database to 3.0** (Atualizar versões anteriores da base de dados HLA Fusion para a versão 3.0) a partir do Fusion Database Utility.
3. Selecione a base de dados que pretende atualizar e especifique a localização onde pretende guardar uma cópia de segurança.
4. Clique no botão **'Upgrade'** (Atualizar).
5. Selecione a função **'Select Database'** (Selecionar base de dados) a partir do Fusion Database Utility.
6. Selecione a base de dados que atualizou no passo 3 e clique no botão **'Set'** (Definir).

